

Appendix 2. Similarity indices for basins per sequence.

C1	AI	AB	CB	UMV	ND	WM	NTA	S-A	BB
AI									
AB	0.86								
BCB	0.43	0.99							
UMV	0.7	0.67	0.79						
ND	0.41	0.71	0.59	0.79					
WM	0.4	0.23	0.51	0.3	0.52				
NTA	0.7	0.01	0	0	0.21	0.66			
S-A	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5		
BB	0.76	0.71	0.71	0.12	0.39	0.23	0.39	0.5	

C2	AI	AB	CB	UMB	ND	WM	NTA	S-A	BB
AI									
AB	0.85								
CB	0.44	0.83							
UMV	0.68	0.55	0.29						
ND	0.42	0.73	0.94	0.39					
WM	0.34	0	0.08	0.02	0.62				
NTA	0.27	0.01	0.21	0	0.14	0.93			
S-A	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5	0.5		
BB	0.83	0.79	0.08	0.25	0.29	0.63	0.3	0.5	

C3	AI	AB	CB	UMV	ND	WM	NTA	S-A	BB
AI									
AB	0.5								
CB	0.5	0.5							
UMV	0.5	0.5	0.86						
ND	0.5	0.5	0.81	0.06					
WM	0.5	0.5	0.15	0.02	0.74				
NTA	0.5	0.5	0.08	0.02	0.23	0.98			
S-A	0.5	0.5	0.44	0.17	0.44	0.33	0.27		
BB	0.5	0.5	0.39	0.03	0.25	0.64	0.09	0.78	

C4	AI	AB	CB	UMV	ND	WM	NTA	S-A	BB
AI									
AB	0.5								
CB	0.02	0.5							
UMV	0.01	0.5	0.29						
ND	0.31	0.5	0.14	0.66					
WM	0.95	0.5	0.14	0.59	0.99				
NTA	0.85	0.5	0	0.16	0.63	0.83			
S-A	0.26	0.5	0.41	0.54	0.96	0.49	0.55		
BB	0.87	0.5	0	0.21	0.47	0.56	0.06	0.96	

C5	AI	AB	CB	UMV	ND	WM	NTA	S-A	BB
AI									
AB	0.5								
CB	0.06	0.5							
UMV	0.43	0.5	0.38						
ND	0.34	0.5	0.11	0.99					
WM	0.98	0.5	0.11	0.95	1				
NTA	0.95	0.5	0.4	0.9	0.99	0.98			
S-A	0.76	0.5	0.15	0.95	0.51	0.18	0.55		
BB	0.99	0.5	0.01	0.85	0.75	0.89	0.54	0.96	