

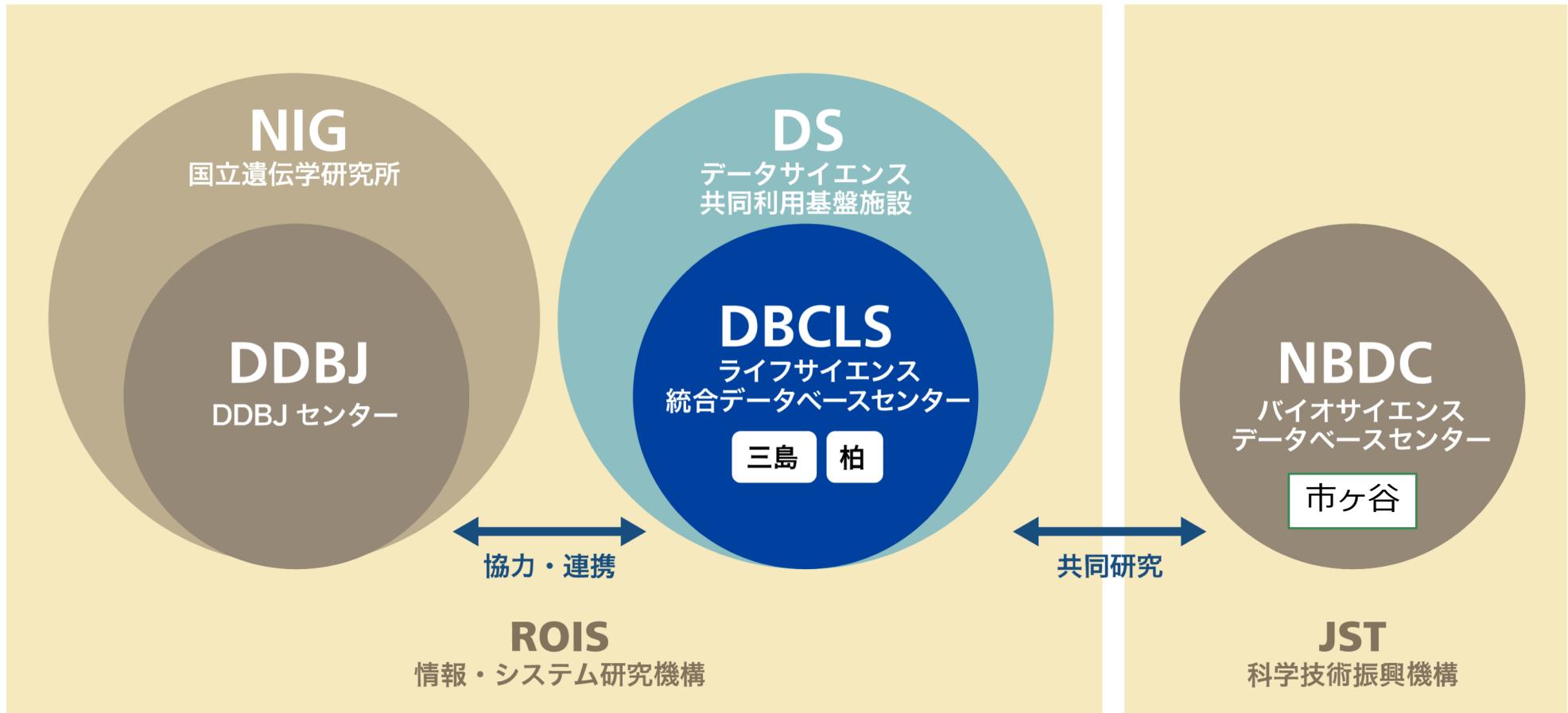
2019/09/13

INGEMメディカルAIセミナー

# 稀少・遺伝性疾患検索システム PubCaseFinderの 研究開発と使い方について

情報システム・研究機構  
ライフサイエンス統合データベースセンター  
藤原豊史 @fujitoyo

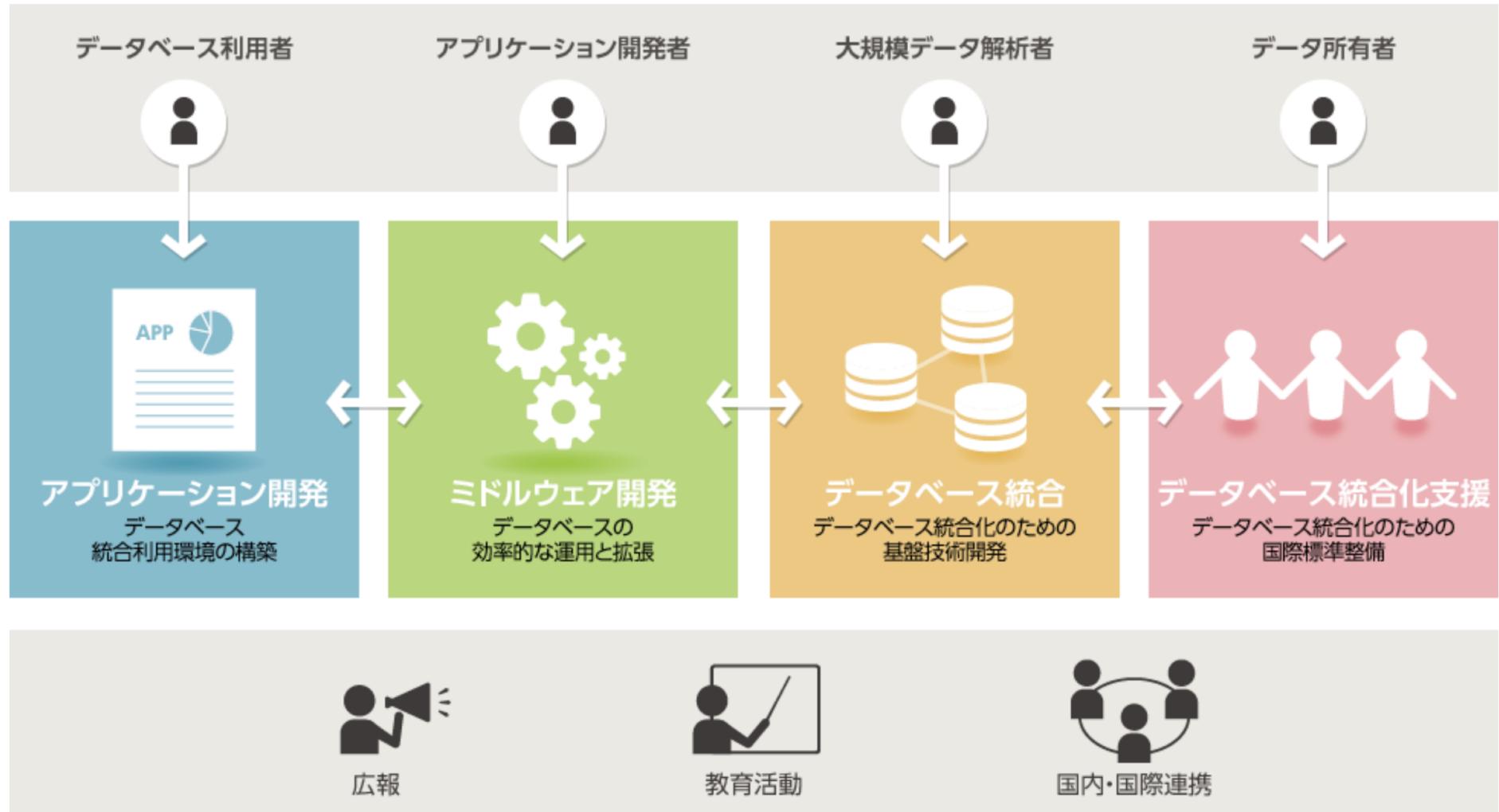
# ライフサイエンス統合データベースセンターと関連機関



- 2007年4月 情報・システム研究機構（ROIS）にDBCLS 設立
- 2011年4月 JSTにバイオサイエンスデータベースセンター（NBDC）設立  
「基盤技術開発プログラム」をROISが受託
- 2014年4月 NBDC「統合データベースにおける基盤技術開発とデータベース運用に係る共同研究」開始
- 2016年4月 ROISにデータサイエンス共同利用基盤施設設置

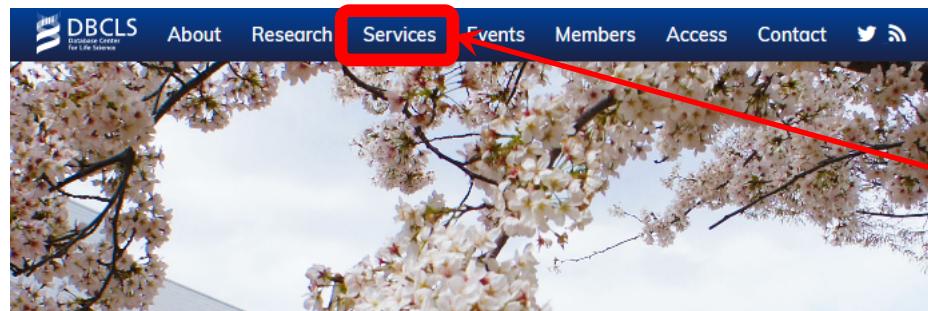
# DBCLSのミッション

- ライフサイエンスのデータ(ベース)を統合的に利用できる環境の構築



# DBCLSのサービス

## サービスへのアクセス



Services をクリック

**カテゴリ**

- すべて
- データ解析ツール
- 文献知識抽出
- コンテンツ
- セマンティックウェブ

**ユーザ**

- すべて
- データベース利用者
- アプリケーション開発者
- 大規模データ解析者
- データ所有者

<b>TO GO GENOME</b> 生物種とゲノムに特化する多様な情報を集約し、ゲノム関連の統合的で新しい検索を実現したシステムです。	<b>DBCLS SRA</b> DBCLSで登録されたNGSデータについて、さまざまな既存情報から検索・比較・データ収集ができる目次サイトです。	<b>RefEx</b> 遺伝子表現分析の基礎となる各遺伝子の発現量を簡単に検索・閲覧できるウェブツールです。
 <a href="#">TO GO GENOME</a> ● セマンティックウェブ ● データベース利用者 <a href="#">詳細</a> <a href="#">アクセス</a>	 <a href="#">DBCLS SRA</a> ● データ解析ツール ● データベース利用者 <a href="#">詳細</a> <a href="#">アクセス</a>	 <a href="#">RefEx</a> 遺伝子表現分析の基礎となる各遺伝子の発現量を簡単に検索・閲覧できるウェブツールです。 <a href="#">詳細</a> <a href="#">アクセス</a>
 <a href="#">AOE</a> 公共データベースに登録された遺伝子発現データについて、各種統計情報を検索・閲覧・比較ができるのが目次サイトです。	 <a href="#">GCRNA</a> 統合遺伝子検索GCRNA 様々なキーワードで遺伝子配列、アミノ酸配列などから遺伝子を検索することができますが遺伝子検索エンジンです。	 <a href="#">GGGenome</a> 高速塩基配列検索GGGenome ゲノムや配列を検索から塩基配列を高速に検索するツールです。
 <a href="#">Gendo</a> 遺伝子、疾患について、関連する疾患、薬剤、器官、生体現象などの情報をキーワードでリスト表示するツールです。	 <a href="#">LODQA</a> 自然言語でSPARQLエンドポイントを検索するためのインフェースです。	 <a href="#">PubCaseFinder</a> 遺伝子症状を入力するだけで、関連する参考文献、臨床疾患の発現部位を可視性が高い順に自動的にリストアップしてくれる医療者向け検索システムです。
 <a href="#">CRISPRdirect</a> 入力した遺伝子配列に対してCRISPR-Cas9システムのgRNAを設計することができるツールです。	 <a href="#">AUTHOR'S</a> 新着論文レビュー 日本人を筆者とする生命科学分野の論文について、論文の著者自身の執筆による日本語のレビューを公開するサービスです。	 <a href="#">BIO AUTHOR'S</a> 領域融合レビュー 生命科学分野における最新の研究成績について、第一稿の研究者の執筆による日本語のレビューを公開するサービスです。
<a href="#">詳細</a> <a href="#">アクセス</a>	<a href="#">詳細</a> <a href="#">アクセス</a>	<a href="#">詳細</a> <a href="#">アクセス</a>
<b>TO GO TV</b> データベースやウェブツールの使い方を動画で紹介するサービスです。掲載している動画は100本を超えてます。	<b>Anatomography BodyParts3D</b> BodyParts3D/Anatomography 誰でも気軽にできるスマート動画で簡単に使えるサービスです。作成した回答は、誰にでも見られるなど自由に公開することができます。	<b>ライフサイエンス QA</b> ライフサイエンス研究にまつわる疑問や質問、それらへの回答を共有するウェブサイトです。
 <a href="#">TO GO TV</a> ● データ解析ツール ● データベース利用者 <a href="#">詳細</a> <a href="#">アクセス</a>	 <a href="#">BodyParts3D</a> ● データ解析ツール ● データベース利用者 <a href="#">詳細</a> <a href="#">アクセス</a>	 <a href="#">QA</a> ● データベース利用者 <a href="#">詳細</a> <a href="#">アクセス</a>
 <a href="#">YummyData うまかデータ</a> Umaka-Yummy SPARQLエンドポイントの機械的な評価を定期的に行います。	 <a href="#">umakaviewer</a> UmakaViewer RDFデータの構造を可視化するサービスです。	 <a href="#">SPARQL Builder</a> 直感的にマスク操作で生命科学系データベースに対するSPARQLエンドポイントを構築するシステムです。
 <a href="#">YummyData うまかデータ</a> ● データ解析ツール ● データベース利用者 <a href="#">詳細</a> <a href="#">アクセス</a>	 <a href="#">umakaviewer</a> ● データベース利用者 <a href="#">詳細</a> <a href="#">アクセス</a>	 <a href="#">SPARQL Builder</a> ● データベース利用者 <a href="#">詳細</a> <a href="#">アクセス</a>
 <a href="#">SPARQL support</a> SPARQLエンドポイントでのSPARQLエンドポイントを構築するためのCodeMirrorアドオンです。	 <a href="#">SPARQLList</a> SPARQLエンドポイントをMarkdownによる簡単な記述でREST API化するためのAPIリファレンスです。	 <a href="#">SPANG</a> オンライン環境で利用可能なSPARQLクライアントです。
 <a href="#">SPARQL support</a> ● セマンティックウェブ ● データベース利用者 <a href="#">詳細</a> <a href="#">アクセス</a>	 <a href="#">SPARQLList</a> ● セマンティックウェブ ● アプリケーション開発者 <a href="#">詳細</a> <a href="#">アクセス</a>	 <a href="#">SPANG</a> ● セマンティックウェブ ● データベース利用者 ● アプリケーション開発者 <a href="#">詳細</a> <a href="#">アクセス</a>
 <a href="#">sparql-proxy</a> SPARQLエンドポイントにジョブ管理やキャッシュ機能を持たせて安全に公開するためのアプリケーションです。	 <a href="#">TOGO STANZA</a> TogoStanza SPARQL結果を可視化し任意のウェブページに埋め込むスタンザを提供するアプリケーションです。	 <a href="#">d3sparql.js</a> SPARQL結果をD3.jsを使って簡単に可視化するためのJavaScriptライブラリです。
 <a href="#">sparql-proxy</a> ● コンテンツ ● データベース利用者 ● データ所有者 <a href="#">詳細</a> <a href="#">アクセス</a>	 <a href="#">TOGO STANZA</a> ● セマンティックウェブ ● アプリケーション開発者 <a href="#">詳細</a> <a href="#">アクセス</a>	 <a href="#">d3sparql.js</a> ● セマンティックウェブ ● アプリケーション開発者 <a href="#">詳細</a> <a href="#">アクセス</a>
 <a href="#">NBDC RDF Portal</a> NBDC RDF Portal 日本の研究グループによって開発された生物学データのRDFを蓄積している。	 <a href="#">LSD RDF Data Portal</a> LSD RDF Data Portal セイワ（エヌ・エス・ディー）によって開発された生物学データのRDFを蓄積している。	 <a href="#">TogoVar</a> TogoVar 日本語ゲノム配列の個人による貢献（ソース）と共に蓄積する生物学データのRDFを蓄積している。
 <a href="#">NBDC RDF Portal</a> ● 文献知識抽出 ● セマンティックウェブ ● アプリケーション開発者 ● 大規模データ解析者 <a href="#">詳細</a> <a href="#">アクセス</a>	 <a href="#">LSD RDF Data Portal</a> ● 文献知識抽出 ● セマンティックウェブ ● データベース利用者 <a href="#">詳細</a> <a href="#">アクセス</a>	 <a href="#">TogoVar</a> TogoVar 日本語ゲノム配列の個人による貢献（ソース）と共に蓄積する生物学データのRDFを蓄積している。

## □日本人ゲノム多様性統合データベース

**TOGO VAR** A comprehensive Japanese genetic variation database

Search for disease or gene symbol or rs...

Disease: Breast-ovarian cancer, familial 2 Gene: ALDH2 refSNP: rs114202595 TogoVar: tgv421843 Position(GRCh37/hg19): 16:48258198 Region(GRCh37/hg19): 10:73270743-73376976

**Results** The number of available data is 10,000 out of 64,094,472.

TogoVar ID	RefSNP ID	Position	Ref / Alt	Type	Gene	Alt frequency	Consequence	SIFT	PolyPhen	Clinical sign
tgv67073503		1: 66507	ATAA... 44bp	Insertion			Intergenic variant			
tgv67073504		1: 66507	ATAT... 46bp	Insertion			Intergenic variant			
tgv67073557	rs374644745	1: 68057	G > A	SNV			Intergenic variant			
tgv457	rs201219564	1: 69270	A > G	SNV	OR4F5		Synonymous variant			
tgv465	rs140739101	1: 69428	T > G	SNV	OR4F5		Missense variant	0.01	0.984	
tgv478	rs2691305	1: 69511	A > G	SNV	OR4F5		Missense variant	0.82	0	
tgv485	rs190717287	1: 69534	T > C	SNV	OR4F5		Synonymous variant			
tgv491	rs556374459	1: 69555	T > G	SNV	OR4F5		Missense variant	0.04	0.973	
tgv492	rs754025211	1: 69559	G > A	SNV	OR4F5		Missense variant	0.02	0.675	
					OR4F5		Missense variant	0	0.987	
					OR4F5		Missense variant	0	0.589	
					OR4F5		Missense variant	0.03	0.004	

**TogoVar収録データセット一覧**

ヒトゲノムリファレンス配列  
• GRCh37.p13 (2013/06/28)

Japanese Genotype-phenotype Archive (JGA)の個人ゲノムデータ由來のバリエントデータセット

データセット名	バージョン/最終更新日	サンプルサイズ	検出バリエント数	除外後バリエント数	作成者
JGA-NGS	2018/06/01	125	13,338,968	4,679,025	NBDC
JGA-SNP	2018/06/01	183,884	1,966,919	1,249,724	NBDC

注: アレル数5以下のバリエントはJGA-NGS/JGA-SNPデータセットから削除しています。

第三者が作成したバリエントデータセット

データセット名	バージョン/最終更新日	サンプルサイズ	バリエント数	バリエント部位数	作成者
ClinVar	2019/06/24	–	443,213	–	NCBI
Exome Aggregation Consortium (ExAC)	Release 1 (2017/02/27)	60,706	10,195,872	9,362,319	Broad Institute
Human Genetic Variation Database (HGVD)	Version 2.30 (2017/08/02)	1,208	554,461	501,556	京都大学
ToMMo 3.5KJPv2 Allele Frequency Panel (3.5KJP)	v201810Open; Unfiltered	3,552	64,675,495	60,816,012	東北メディカル・メガバンク機構

注1: ClinVarはVCFファイルに含まれるGRCh37上の位置が決定しているバリエントのみを掲載しています。  
注2: 3.5KJPv2はAutosome、chrX (PAR1+PAR2+XTR)、chrMTのSNVとINDELから構成されます。詳細はSummary of ToMMo 3.5KJPv2 (v201810Open; Unfiltered)をご覧ください。

**Filters**

**Dataset**

- All 64,094,472
- JGA NGS 4,537,092
- JGA SNP 1,249,724
- 3.5KJP 55,195,066
- HGVD 510,169
- ExAC 9,087,393
- Clinvar 436,189

**Alternative allele frequency**

0 ~ 1 Invert range  
0.0 0.1 0.2 0.3 0.4 0.5 0.6 0.7 0.8 0.9 1.0  
for all datasets for any datasets

**Variant calling quality**

Exclude filtered out variants in selected datasets

**Variant type**

**GEnome Medicine Alliance Japan**

GEM Japan

Research Japanese variants

TOGO VAR

Global Data sharing between Japanese and the other global populations • research and clinical practice • common diseases and rare diseases

Clinical practice Japanese disease variants

MGeND

Global Data sharing between Domestic • MEXT • CeVD • SycD • CVD • BBJ • TMM • NC • TMM • BBJ • RD • Cancer • Infection • Dementia

MHLW

# BioHackathon による国際・国内連携

---

- 1週間程度泊まり込みで開発と議論を徹底的に行う開発者会議
  - 国際版バイオハッカソン（毎年1回、～140名）
  - 国内版バイオハッカソン（毎年1回、～70名）
  - BLAH: Biomedical Linked Annotation Hackathon  
(毎年1回、～50名)



2018年12月の国際版バイオハッカソン

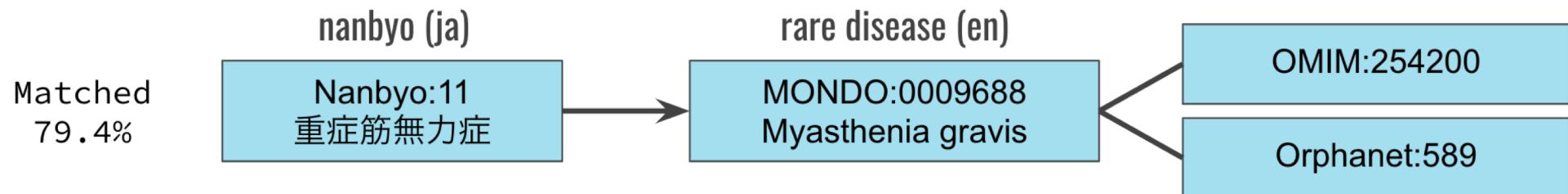
# BioHackathon2019 in Fukuoka

<http://rarediseasedoctors.org>

The screenshot shows the homepage of the Rare Disease Doctors website. In the top left corner is the logo, which consists of a stylized 'Q' shape formed by a blue 'U' and a red 'Q', with the text "Rare Disease Doctors" next to it. In the top right corner, there is a teal navigation bar with three white links: "ABOUT", "TEAM", and "CONTACT". Below the navigation bar, there is a large, light gray background area featuring a stylized illustration of medical items: a red clipboard with a patient profile, a blue prescription bottle, a white blister pack of red pills, and two test tubes (one blue, one red). A hand wearing a blue glove holds a magnifying glass over the clipboard. To the right of this illustration, the text "Find a specialist for your rare condition." is displayed in bold, dark gray font. Below this text is a white search bar with the placeholder text "Search for a condition...".

# BioHackathon2019 in Fukuoka

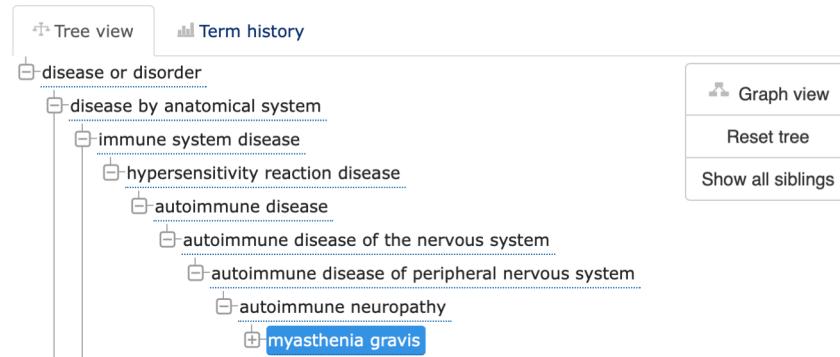
## □ Mapping Nanbyo diseases to MONDO diseases



## □ MONDO

# myasthenia gravis

[http://purl.obolibrary.org/obo/MONDO\\_0009688](http://purl.obolibrary.org/obo/MONDO_0009688)



Term info

def  
Myasthenia gravis (MG) is a rare, clinically heterogeneous, autoimmune disorder of the neuromuscular junction characterized by fatigable weakness of voluntary muscles.

hasExactSynonym  
acquired myasthenia, myasthenia gravis, autoimmune myasthenia gravis

hasRelatedSynonym  
myasthenia gravis; MG, MG

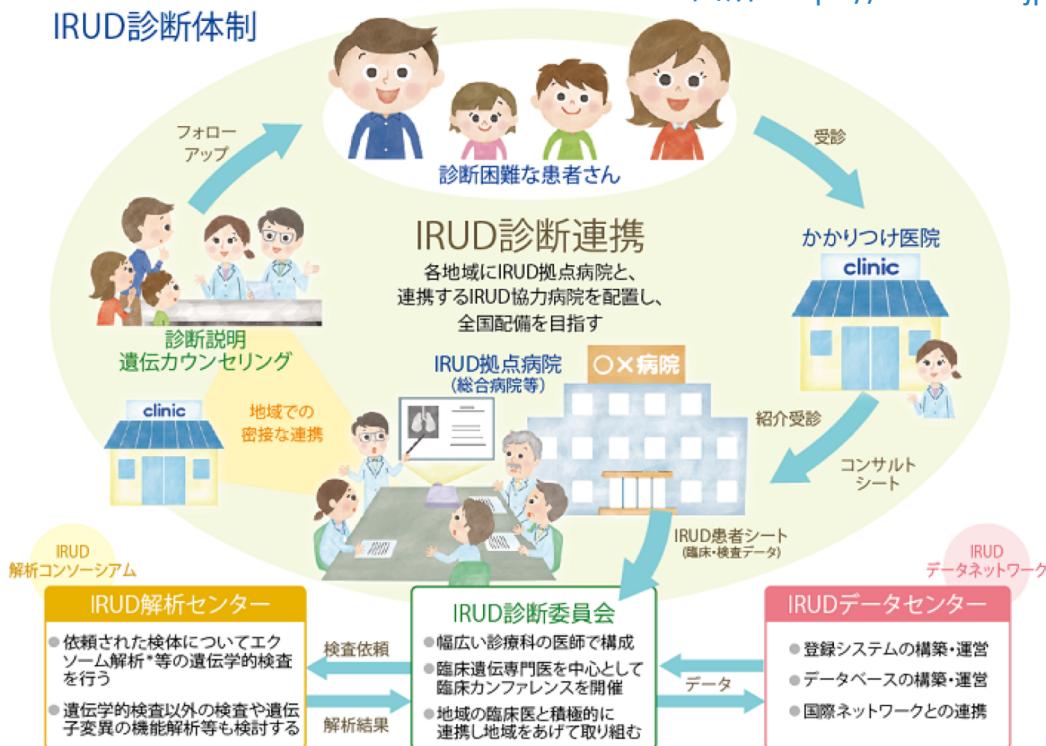
xref

[http://purl.obolibrary.org/obo/MESH#\\_D009157](http://purl.obolibrary.org/obo/MESH#_D009157),  
[http://purl.obolibrary.org/obo/NCIT#\\_C60989](http://purl.obolibrary.org/obo/NCIT#_C60989),  
[http://purl.obolibrary.org/obo/ICD9#\\_358.00](http://purl.obolibrary.org/obo/ICD9#_358.00),  
[http://purl.obolibrary.org/obo/EFO\\_0004991](http://purl.obolibrary.org/obo/EFO_0004991),  
[http://purl.obolibrary.org/obo/UMLS#\\_C0026896](http://purl.obolibrary.org/obo/UMLS#_C0026896),  
[http://purl.obolibrary.org/obo/COHD\\_76685](http://purl.obolibrary.org/obo/COHD_76685),  
[http://purl.obolibrary.org/obo/MedDRA\\_10028417](http://purl.obolibrary.org/obo/MedDRA_10028417),  
[http://purl.obolibrary.org/obo/SCTID\\_91637004](http://purl.obolibrary.org/obo/SCTID_91637004),  
[http://purl.obolibrary.org/obo/Orphanet\\_589](http://purl.obolibrary.org/obo/Orphanet_589),  
[http://purl.obolibrary.org/obo/ICD10#\\_G70.00](http://purl.obolibrary.org/obo/ICD10#_G70.00),  
[http://purl.obolibrary.org/obo/ICD10#\\_G70.0](http://purl.obolibrary.org/obo/ICD10#_G70.0),  
[http://purl.obolibrary.org/obo/OMIM\\_254200](http://purl.obolibrary.org/obo/OMIM_254200),  
[http://purl.obolibrary.org/obo/ICD9#\\_358.0](http://purl.obolibrary.org/obo/ICD9#_358.0),  
[http://purl.obolibrary.org/obo/GARD\\_0007122](http://purl.obolibrary.org/obo/GARD_0007122),  
[http://purl.obolibrary.org/obo/DOID\\_437](http://purl.obolibrary.org/obo/DOID_437)

# ゲノム解析を用いた診断

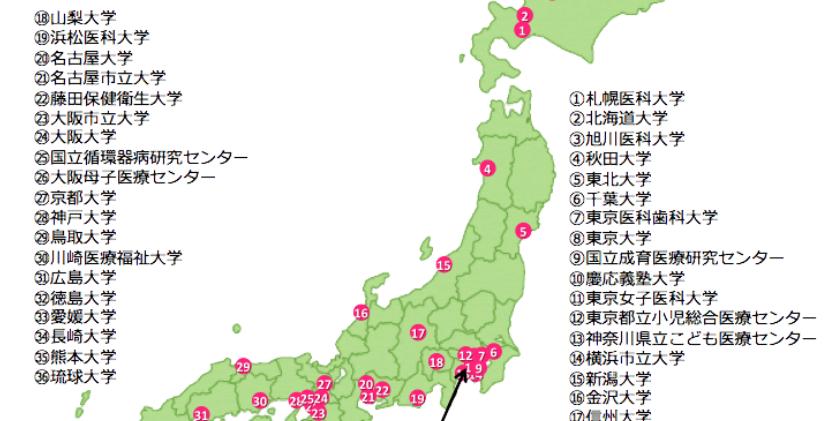
- 日本医療研究開発機構(AMED)が主導する未診断疾患イニシアチブ(IRUD)は、日本全国の未診断患者に対してゲノム解析をすることで、診断しようとする試み
  - 既に6,000件以上のゲノム解析が実施された
  - 診断率: 約33%

出所:<https://www.irud.jp/system.html>



第2期IRUD拠点体制地図

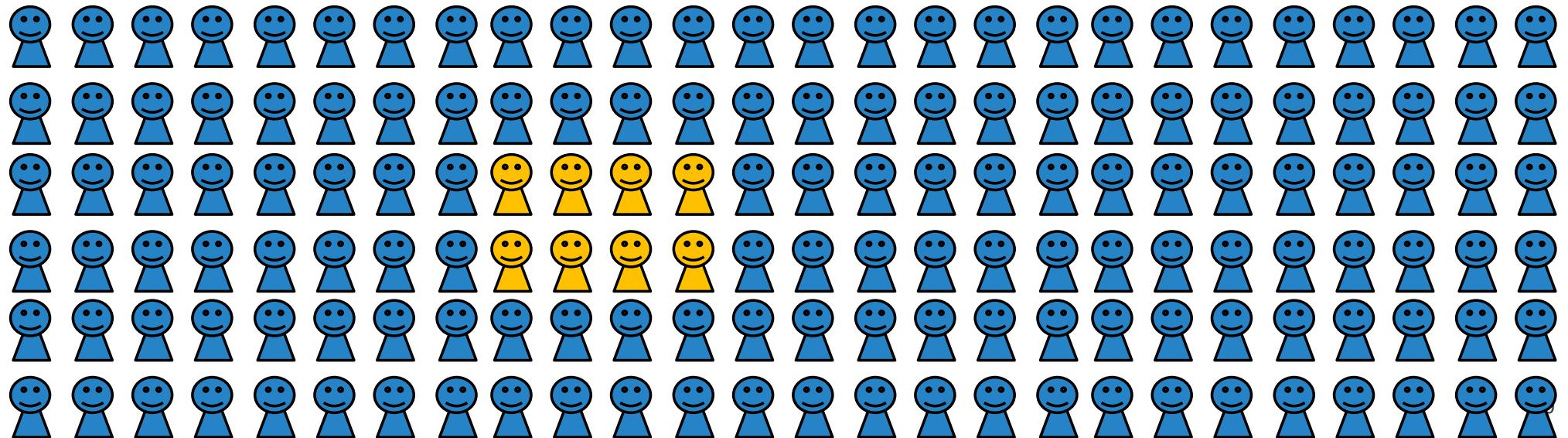
2018年4月 全国37拠点



# 背景

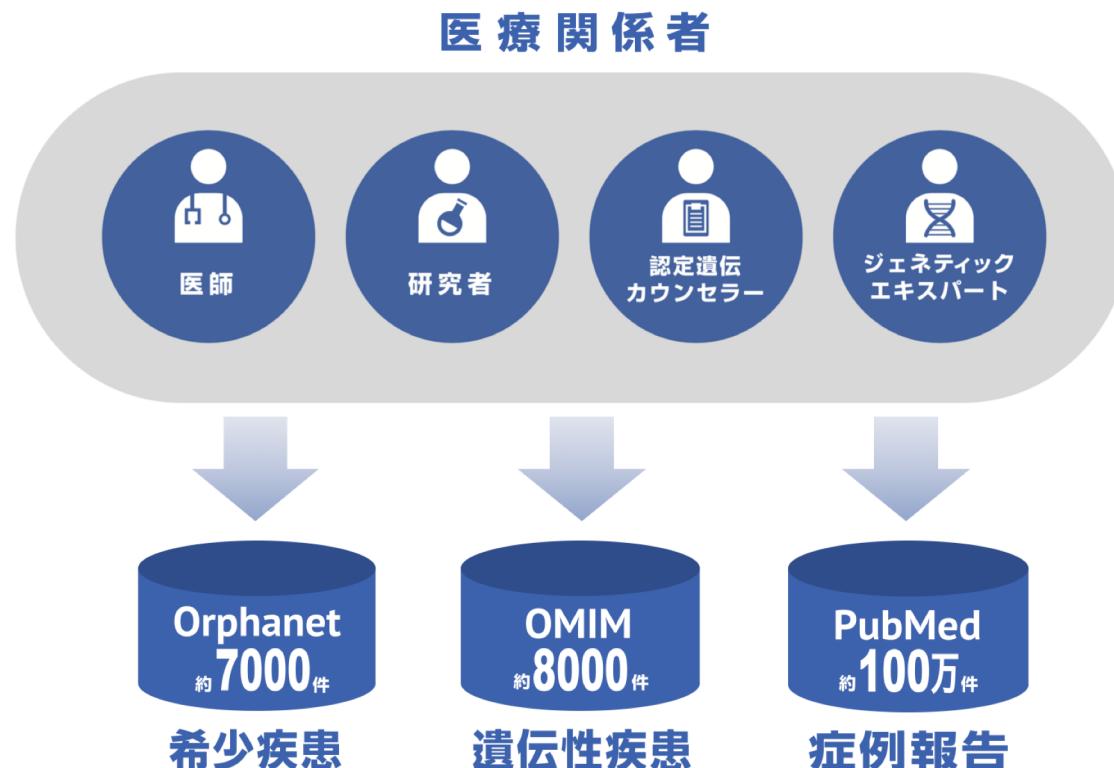
---

- 希少疾患の未診断患者を対象に、次世代シーケンサーを用いたゲノム解析が実施されている (Sawyer, 2016)
  - 診断率は約25～40%



# 背景・目的

- 疾患数の多さに比較して各疾患の頻度が低い中で、一人の医療者が十分な症例数の診療経験を積むことは困難であり、症状の組み合わせから診断に至るのは容易ではない (Kosaki, 2017)
- 早期の診断には、医療関係者が**患者の症状**を元に、**疾患情報**や**過去の症例**を容易に検索できる環境整備が重要 (Sebastian, 2016)



# PubCaseFinder

患者の 徴候・症状 を入力

HP:0001878 溶血性貧血 × HP:0000952 Jaundice × HP:0001744 脾腫 × HP:0004444 球状赤血球症 × HP:0001081 胆石症 ×

疾患を絞り込む + Up

結果の要約をダウンロード

希少疾患 (Orphanet) 4,066 件

合計: 4,066 件

順位 (類似度)	疾患名 (疾患ID)
1 (100.0%)	Hereditary spherocytosis (ORDO:822)
1 (100.0%)	Sickle cell anemia (ORDO:232)
3 (97.9%)	Alpha-thalassemia (ORDO:846)

患者の 徴候・症状 を入力

HP:0001878 溶血性貧血 × HP:0000952 Jaundice × HP:0001744 脾腫 × HP:0004444 球状赤血球症 × HP:0001081 胆石症 ×

疾患を絞り込む + Up

結果の要約をダウンロード

希少疾患 (Orphanet) 4,066 件

合計: 6969 件

順位 (類似度)	疾患名 (疾患ID)
1 (100.0%)	hereditary spherocytosis type I (OMIM:182900)
2 (91.9%)	hereditary spherocytosis type II (OMIM:616649)
2 (91.9%)	hereditary spherocytosis type III (OMIM:612653)

# PubCaseFinder

ヘルプ 利用規約 API お問い合わせ

症例報告 徵候・症状 疾患原因遺伝子

## 患者の 徵候・症状 を入力

HP:0001878 溶血性貧血 × HP:0000952 Jaundice × HP:0001744 脾腫 × HP:0004444 球状赤血球症 × HP:0001081 胆石症 ×

## 症例報告を絞り込む

症例報告を検索 クリア

合計: 205 (症例報告) 1 2 3 ... 21 > 10 (表示件数)

対応する徴候・症状 遺伝子 変異 キーワード (MeSH)

順位 (類似度)	PMID (PMCID)	疾患名
1 (91.9%)	<a href="#">19763011</a>	Hereditary spherocytosis in a 27-year-old woman: case report. Hassan A, Babadoko AA, Isa AH, Abunimye P. Ann Afr Med. 2009;8(1):61-3. [抄録を表示] 黄疸 脾腫 溶血性貧血 球状赤血球症
2 (90.1%)	<a href="#">27423290</a>	Hereditary Spherocytosis with Splenomegaly and Cholelithiasis in a Young Male of Western Region of Nepal - A Case Report. Ghimire P, Gurung NV, Shrestha S, Poudel SR, Chapagain A. Kathmandu Univ Med J (KUMJ). 2015;13(52):366-8. [抄録を表示] 黄疸 胆石症 脾腫 溶血性貧血
3 (89.3%)	<a href="#">8717295</a>	[Intrathoracic extramedullary hematopoiesis in a case of hereditary spherocytosis]. Takahashi R, Igarashi T, Nakagawa A, Ohuchi H, Nishino M, Murakami S, Yoshida Y, Abe S. Nihon Kyobu Shikkan Gakkai Zasshi. 1996;34(1):71-5. [抄録を表示] 胆嚢炎 脾腫 貧血 球状赤血球症
4 (86.9%)	<a href="#">26073240</a>	Hereditary Spherocytosis in a Middle-aged Man Complicated with Common Bile Duct Stones.

# 詳細な疾患情報を取得

**PubCaseFinder**  
Phenotype-Driven Differential-Diagnosis System

② ヘルプ ④ 利用規約 API お問い合わせ

5 (69.2%)	anemia, congenital dyserythropoietic, type 1a --- 貧血, 先天性赤血球產生 異常性, Ia型	大球性異常造血性貧血 異型赤血球增加症 胎児水腫 脾腫 遷延性新生兒黃疸 CDAN1 常染色体劣性遺伝 <a href="#">OMIM:224120</a> <a href="#">画像検索 (Google)</a> <a href="#">KEGG:H00917</a> <a href="#">Gene Reviews</a>
7 (67.0%)	cystic fibrosis-gastritis- megaloblastic anemia syndrome --- 肺囊胞性線維症- helicobacter pylori 胃炎- 巨赤芽球性貧血-知能低下	外分泌性肺不全 巨赤芽球性貧血 胆汁性肝硬変 葉酸欠乏症 常染色体劣性遺伝 , folate deficiency megaloblastic anemia, and intellectual disability. There have been no further descriptions in the literature since 1991. >> <a href="#">翻訳 (Google)</a> <a href="#">OMIM:219721</a> <a href="#">画像検索 (Google)</a>
8 (66.7%)	vitamin B12-responsive methylmalonic aciduria type cblB --- メチルマロン酸尿症, cblB 型	メチルマロン酸血症 肝腫 貧血 MMAB 常染色体劣性遺伝 An autosomal recessive form of methylmalonic aciduria, caused by mutations in the gene encoding cob(I)yrinic acid a,c-diamide adenosyltransferase, mitochondrial. <a href="#">OMIM:251110</a> <a href="#">画像検索 (Google)</a> <a href="#">Gene Reviews</a>
8 (66.7%)	vitamin B12-responsive methylmalonic aciduria type cblA --- メチルマロン酸尿症 cblA 型	メチルマロン酸血症 肝腫 貧血 MMAA 常染色体劣性遺伝 An autosomal recessive form of methylmalonic aciduria, caused by mutations in the gene encoding MMAA protein. >> <a href="#">翻訳 (Google)</a> <a href="#">OMIM:251100</a> <a href="#">画像検索 (Google)</a> <a href="#">Gene Reviews</a>

疾患データベースへのリンク

- OMIM
- 琉球大学遺伝性疾患DB
- Orphanet
- GeneReviews
- KEGG DISEASE
- Google画像検索

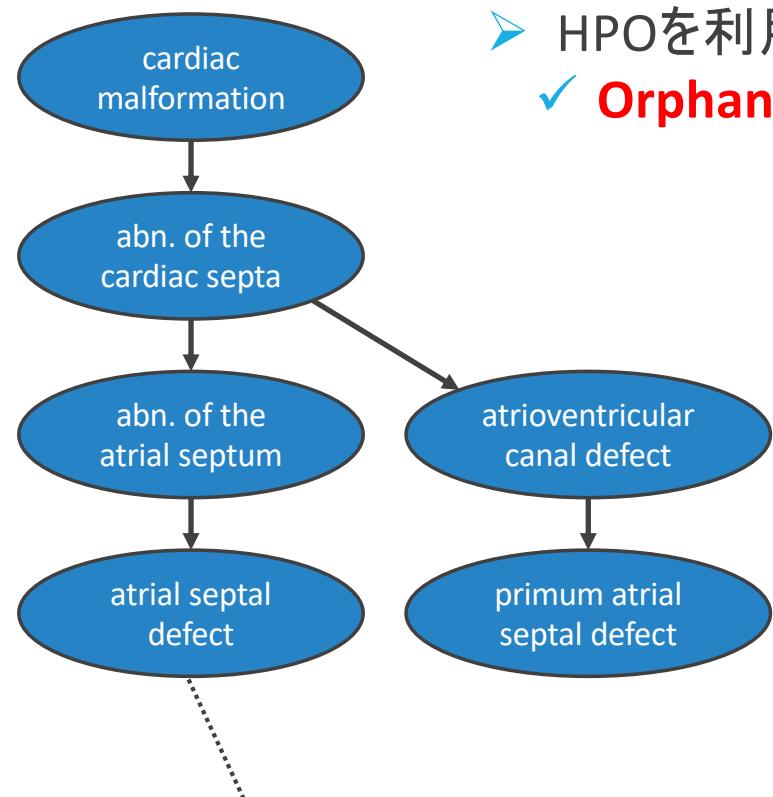
13

# PubCaseFinder を支える重要なリソース

## □ Human Phenotype Ontology (HPO)

○ 希少・遺伝性疾患に関する症状を**約13,000件**収録 (Sebastian, 2016)

general



代表表現: Atrial septal defect (心房中隔欠損)  
類義語: Atrial septum defect  
類義語: ASD

- HPOを利用する多数のデータベース (Köhler, 2017)
  - ✓ **Orphanet, OMIM, ClinVar, MedGen, GARD... etc.**

Orphanet  
約7000件

希少疾患

OMIM  
約8000件

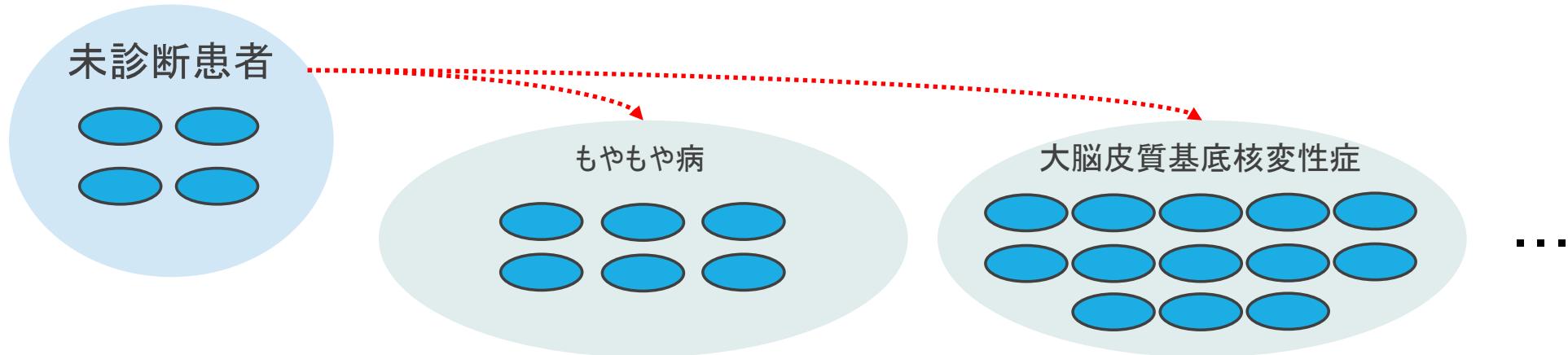
遺伝性疾患

例) もやもや病 (Orphanet:2573)

- 知的障害 (HP:0001249)
- 脳室拡大 (HP:0002119)
- 発作 (HP:0001250)

# 症状セットの類似度計算手法

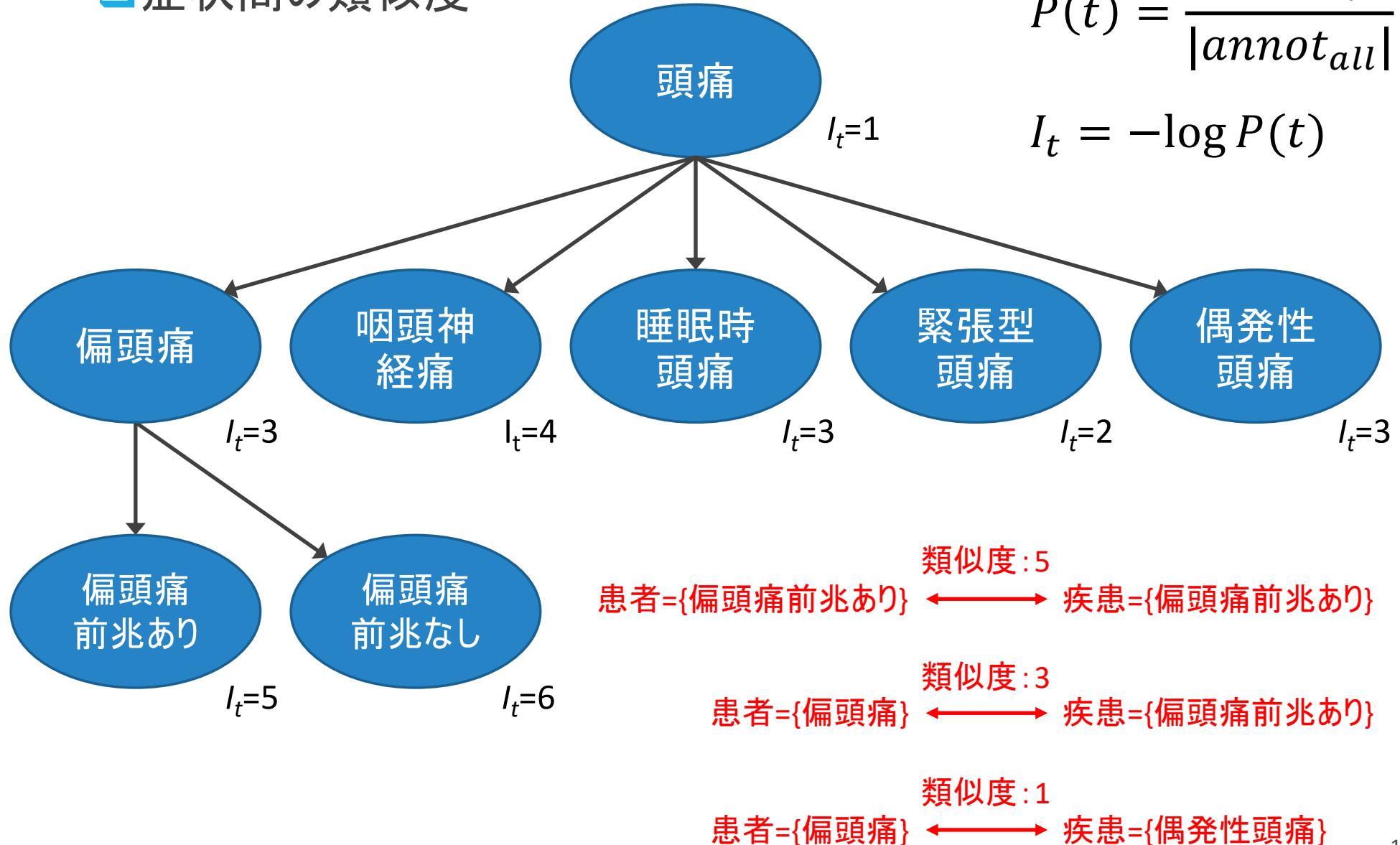
- 未診断患者と各疾患との類似度を症状セットを元に求める



Measure	Equation	Variations	Reference
Resnik(a,b)	$\max_{t \in g^a \cap g^b} IC(t)$	Avg, Max	Rensik, 1995
Lin(a,b)	$\frac{2 * Resnik(a, b)}{IC(a) + IC(b)}$	Avg, Max	Lin, 1998
Jiang-Conrath(a,b)	$\frac{1}{IC(a) + IC(b) - 2 * Resnik(a, b) + 1}$	Avg, Max	Jiang, 1997
simGIC(P,Q)	$\frac{\sum_{t \in g^P \cap g^Q} IC(t)}{\sum_{t \in g^P \cup g^Q} IC(t)}$		Pesquita, 2007
GeneYenta(P,Q)	$\frac{\sum_{t \in T_c} R_t \times \max_{t' \in T_d} sim_{terms}(t, t')}{\sum_{t \in T_c} R_t \times I_t} \times 100$		Gottlieb, 2015

# 症状セットの類似度計算手法

## □ 症状間の類似度



$$P(t) = \frac{|annot_t|}{|annot_{all}|}$$

$$I_t = -\log P(t)$$

# HPOと類似度計算手法の活用事例

- 希少疾患は症例数が少ないため、世界規模で症例データを共有する必要がある
- 多くのプロジェクトが症例データ共有プロジェクト Matchmaker Exchangeに参加(Orion, 2016)



# HPOと類似度計算手法の活用事例

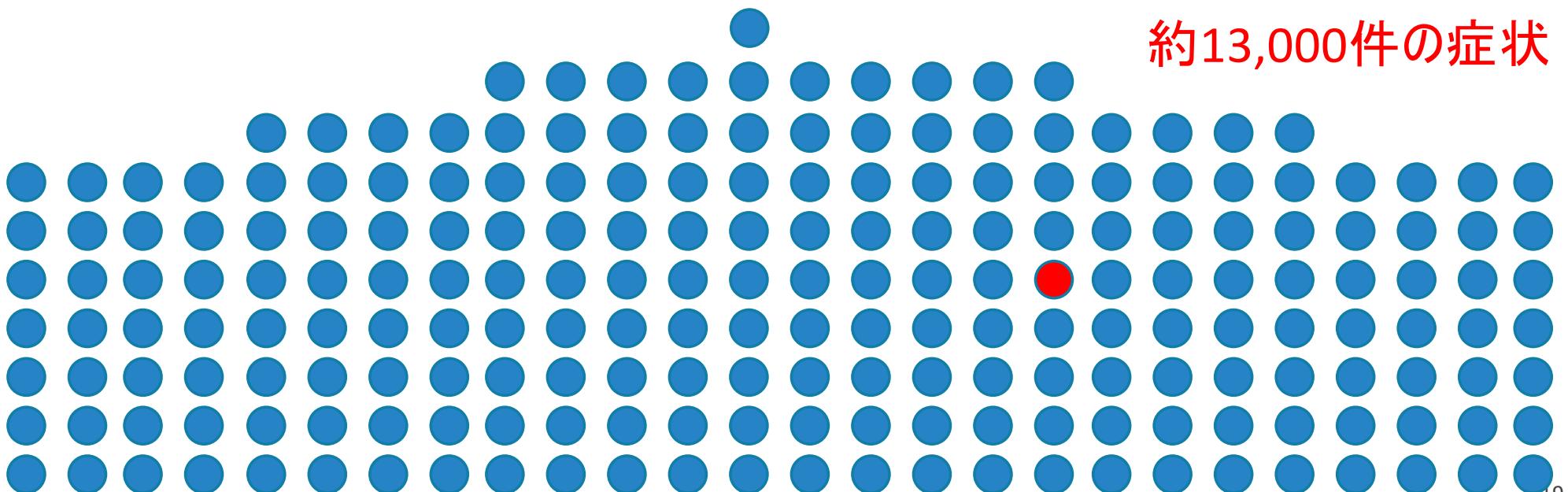
## □ 現在、多くの症例データベースが症状をHPOで管理

Name	URL
PhenomeCentral DDD (Deciphering Developmental Disorders) DECIPHER (DatabasE of genomiC variation and Phenotype in Humans using Ensembl Resources)	<a href="http://phenomecentral.org">phenomecentral.org</a> <a href="http://www.ddduk.org">www.ddduk.org</a> <a href="http://decipher.sanger.ac.uk">decipher.sanger.ac.uk</a>
ECARUCA (European Cytogeneticists Association Register of Unbalanced Chromosome Aberrations)	<a href="http://umcecaruca01.extern.umcn.nl:8080/ecaruca/ecaruca.jsp">http://umcecaruca01.extern.umcn.nl: 8080/ecaruca/ecaruca.jsp</a>
The 100 000 Genomes Project Geno2MP (Exome sequencing data linked to phenotypic information from a wide variety of Mendelian gene discovery projects)	<a href="https://www.genomicsengland.co.uk/">https://www.genomicsengland.co.uk/</a> <a href="http://geno2mp.gs.washington.edu">http://geno2mp.gs.washington.edu</a>
NIH UDP (Undiagnosed Diseases Program) NIH UDN (Undiagnosed Diseases Network) HDG (Human Disease Gene Website series) Phenopolis (An open platform for harmonization and analysis of sequencing and phenotype data)	available via <a href="http://phenomecentral.org">phenomecentral.org</a> available via <a href="http://phenomecentral.org">phenomecentral.org</a> <a href="http://www.humandiseasegenes.com">www.humandiseasegenes.com</a> <a href="https://phenopolis.github.io">https://phenopolis.github.io</a>
GenomeConnect (Patient portal developed by ClinGen (67) FORGE Canada & Care4Rare Consortium RD-Connect Genesis	<a href="http://www.genomeconnect.org">www.genomeconnect.org</a> available via <a href="http://phenomecentral.org">phenomecentral.org</a> <a href="http://platform.rd-connect.eu">platform.rd-connect.eu</a> <a href="http://thegenesisprojectfoundation.org">thegenesisprojectfoundation.org</a>

# HPO利用の問題点



?
顔
HP:0010628 顔面麻痺
HP:0007209 顔面麻痺
HP:0010828 片側顔面スパasmus
HP:0000324 顔面非対称
HP:0000282 顔面浮腫
HP:0011331 片側顔面萎縮



# HPO利用の問題点

## □ HPO用語探索支援ツール「PhenoTouch」を開発

The screenshot shows the PhenoTouch tool integrated into the PubCaseFinder system. At the top, a search bar contains five HPO terms: HP:0001009 毛細血管拡張, HP:0001249 知的障害, HP:0001250 発作, HP:0002072 舞踏病, and HP:0002315 頭痛. Below the search bar, there are three main panels:

- 上位概念 (Superconcept):** Shows '神経系生理の異常' (26) with '追加' (Add) and '置換' (Replace) buttons.
- HP:0002315 頭痛 (Concept Detail):** Displays the HPO ID, symptoms in Japanese and English, a definition, and synonyms. The definition states: 'Cephalgia, or pain sensed in various parts of the head, not confined to the area of distribution of any nerve.' Synonyms listed are Headaches.
- 下位概念 (Subconcept):** Shows a list of subterms for '頭痛': Thunderclap headache (2), 偏頭痛 (2), 喉頭神經痛 (0), 睡眠時頭痛 (0), 緊張型頭痛 (0), 群発(性)頭痛 (0), and 頭痛(褐色細胞腫を伴う) (0). Each item has '追加' and '置換' buttons.

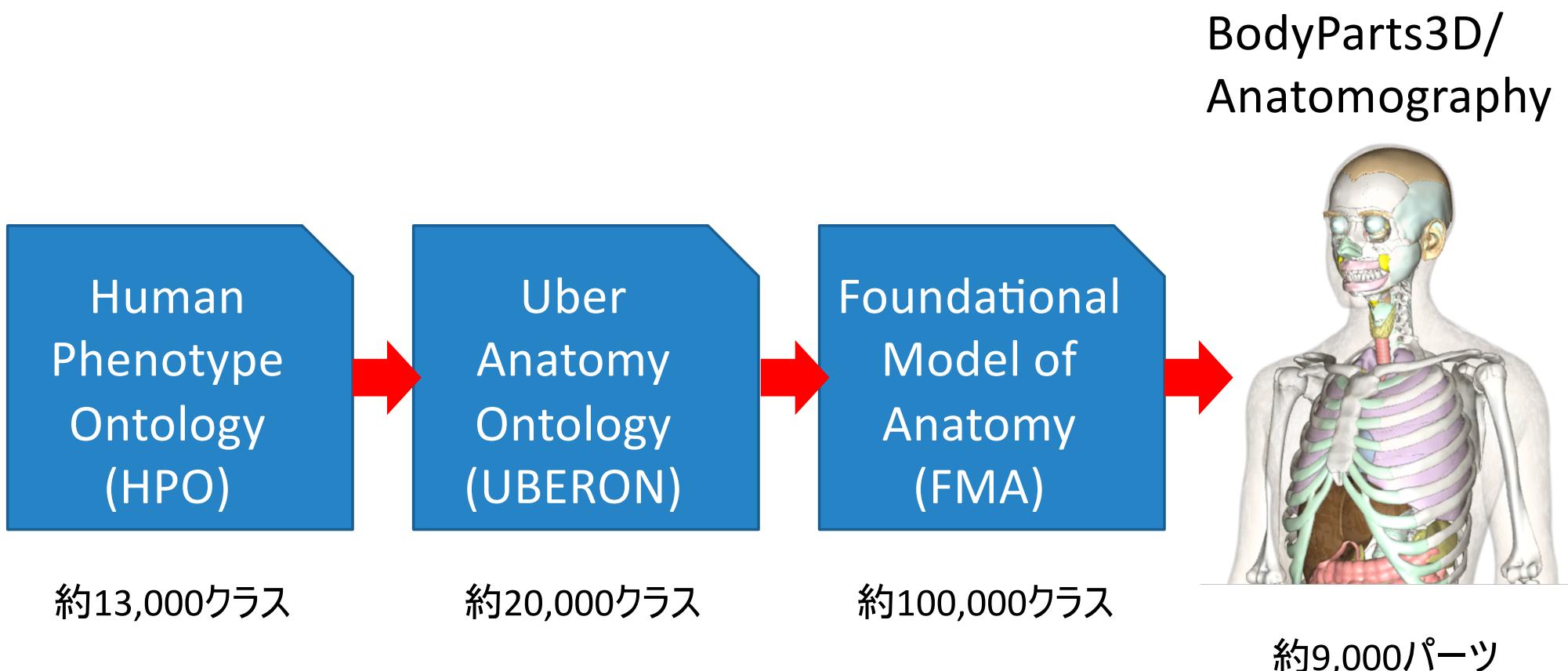
# HPO利用の問題点

- ヒトの3Dモデルをタッチすると、該当箇所に関連する症状の一覧を得ることができる



# HPO利用の問題点

- オントロジーのクロスリファレンスを利用して、HPO termをヒトの Body Partsに対応付けた



# HPO利用の問題点

患者の徴候および症状 JPN ▾

HP:0001903 貧血 × HP:0000952 Jaundice × HP:0000952 黄疸 ×

Clear OK Cancel

上位概念

赤血球の異常 15 追加 置換

HP:0001903 貧血

追加 置換

HPO Id : HP:0001903  
症状(日) : 貧血  
症状(英) : Anemia  
症状定義 : A reduction in erythrocytes volume or hemoglobin concentration.  
Synonym : Anaemia, Decreased hemoglobin

下位概念

追加 置換 0 一過性erythroblastopenia  
追加 置換 7 不適切な産生貧血  
追加 置換 2 赤血球寿命減少による貧血  
追加 置換 0 難治性貧血

ex) 毛細血管拡張、知的障害、発作、舞蹈病、頭痛

## 問題点2: 疾患－症状関連情報の不足

- Orphanetの約7,000の希少疾患のうち、**症状が割り当てられているのは約2,500疾患のみ**

【順位】 【類似度】 【疾患】

1	0.9	ファブリー病
2	0.8	アジソン病
3	0.6	遺伝性膵炎
4	0.5	ウィルソン病
⋮	⋮	⋮
2478	0.1	カナバン病

【順位】	【類似度】	【疾患】	【症状セット】
1	0.9	ファブリー病	下痢 発疹 嘔吐
2	0.8	アジソン病	脱力感 筋力低下 易疲労感
3	0.6	遺伝性膵炎	腹痛 脂肪便 体重減少
4	0.5	ウィルソン病	黄疸 浮腫 食欲不振
⋮	⋮	⋮	⋮
2478	0.1	カナバン病	痙攣

症状が少ない

Orphanet  
の約60%

Orphanet

ランキング  
対象外

ペータース異常

疾患－症状  
関連情報

不足

症状がない

出所:Orphadata: Free access data  
from Orphanet. © INSERM 1997.

# 例：もやもや病の症状

## □Orphanet: 5症状

- 脳血管の異常、毛細管拡張症、脳室拡大、てんかん発作、知的障害

## □難病情報センター:もやもや病(指定難病22)

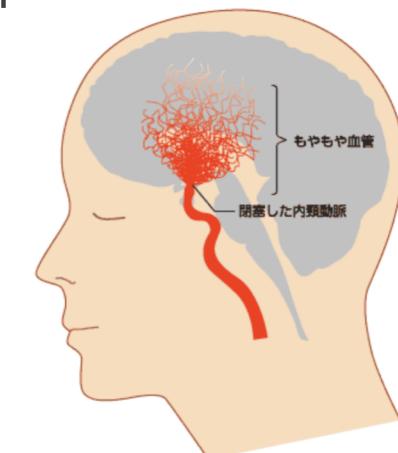
出所: 難病情報センター  
<http://www.nanbyou.or.jp/entry/209>

### ○診断・治療方針(医療従事者向け): 症状

- 意識障害、脱力発作、感覺異常、不随意運動、頭痛、嘔気、運動障害、言語障害、視野障害など

もやもや病

出所: 東海大学医学部脳神経外科  
<http://neurosurgery.med.u-tokai.ac.jp/edemiru/moyamoya/>



# 文献から疾患に関連する症状を抽出

---

- 日々大量に出版される文献から手動で情報を抽出するのは限界がある
  - 自動抽出を試みる



# 文献から疾患に関連する症状を抽出

- 課題:「疾患一症状」関連データの不足が大きな課題
  - 約100万件の症例報告を対象に、テキストマイニング技術で自動取得



例) 遺伝性球状赤血球症 (Orphanet:822)

- 溶血性貧血 (HP:0001878)
- 黄疸 (HP:0000952)
- 脾腫 (HP:0001744)



症例報告 PMID: 12355853

青:疾患名 赤:症状

Hereditary spherocytosis is a genetic, frequently familial hemolytic blood disease characterized by varying degrees of hemolytic anemia, splenomegaly, and jaundice. ....

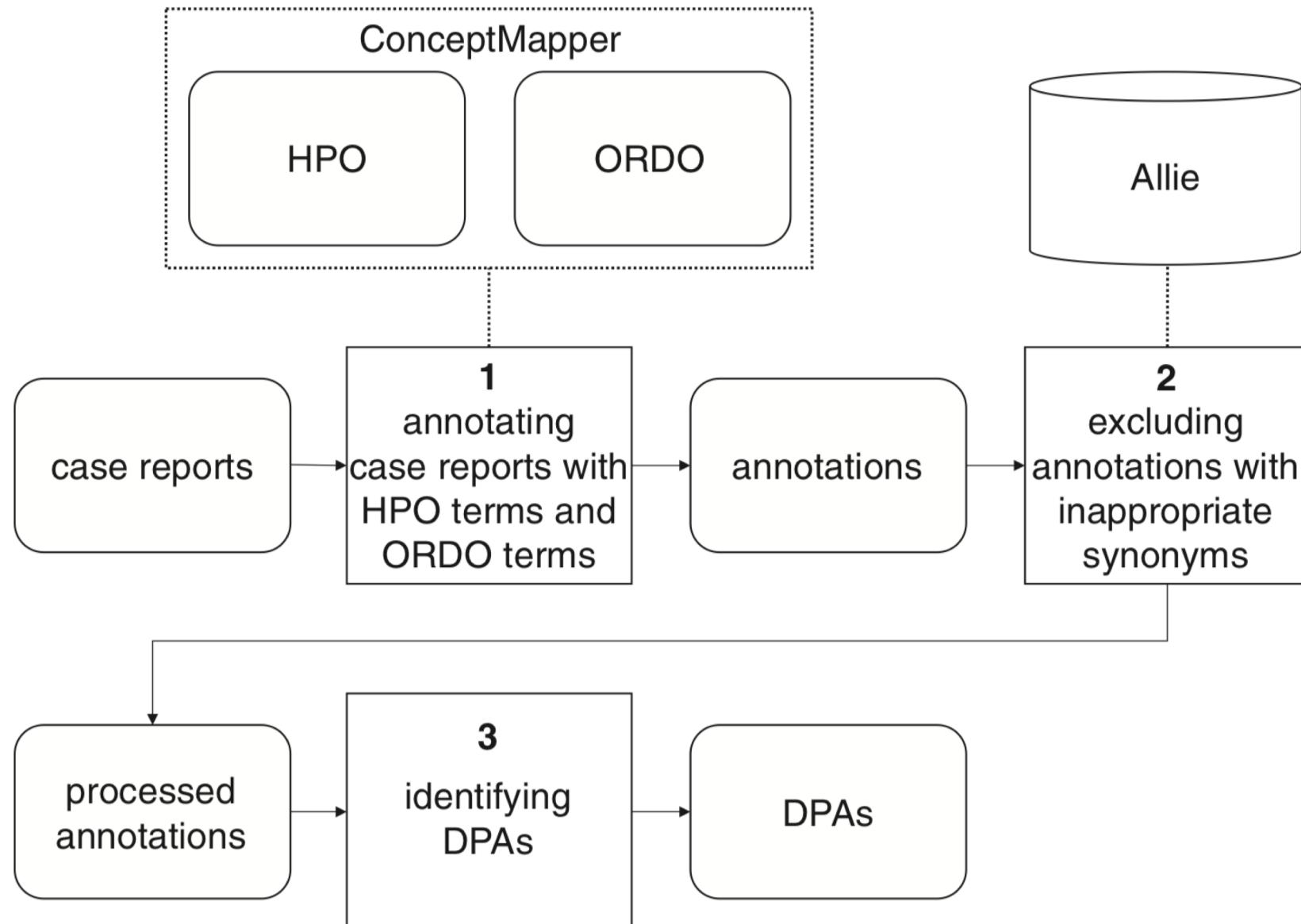


# 症例報告出版数

□ Distribution of the number of case reports published per year in PubMed from 1980 to 2017



# 文献から疾患に関連する症状を抽出



# 文献から疾患に関連する症状を抽出

- オントロジーを用いたアノテーションツール
  - ConceptMapper (Tanenblatt, 2010)、MetaMap (Aronson, 2010)、NCBO Annotator (Jonquet, 2009)
- CRAFT Corpus を利用した、パフォーマンス比較 (Christopher, 2014)
  - 8つのオントロジーにおいてF-measureを比較結果、7つのオントロジーでConceptMapperのF-measureが最も高かった
- HPO gold standard (Tudor, 2015) を用いたツール評価 (藤原, JSAI2017)

System	F-measure	Precision	Recall
NCBO Annotator	0.51	0.54	0.47
MetaMap	0.56	0.51	0.61
ConceptMapper	0.52	0.52	0.51

System	Processing time (sec)
NCBO Annotator	206.0
MetaMap	351.0
ConceptMapper	4.3

100万件の症例報告  
の処理に要する時間

→ 17.7 (day)  
→ 5.2 (hour)

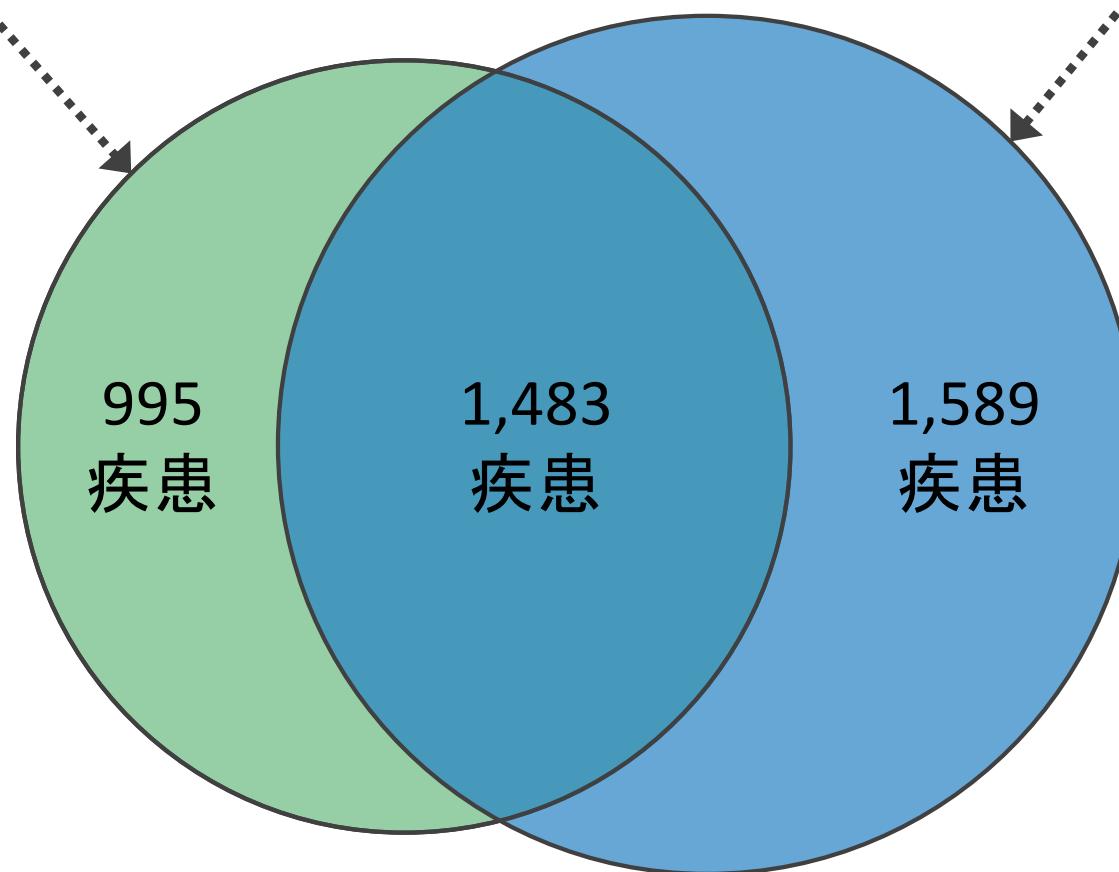
# 疾患－症状関連情報抽出 結果

【Orphanet】

2,478疾患に症状を付与

【症例報告】

3,072疾患に症状を付与



# PubCaseFinderで疾患－症状関連情報を確認

The screenshot shows the PubCaseFinder homepage and a detailed view of a case report. On the left, the homepage displays a search bar with '遺伝性疾患 (OMIM) 7,021 件' and '希少疾患 (Orphanet) 4,057 件'. Below it, a table lists diseases by prevalence, with 'Hereditary spherocytosis' at the top. A red arrow points from a button labeled '症状をクリック' (Click on symptoms) to the '症状' (symptom) section of the detailed view on the right. The detailed view shows a case report for '27108201 MIXED\_SAMPLE Adult'. The report discusses disease-modifying influences in hereditary spherocytosis. Below this, three other cases are listed: 27566068 (Male, Middle Aged), 27906107 (Female, Adult), and 27423290 (Male, Child). Each case report includes a brief summary and a reference to a medical journal article.

PubCaseFinder  
Phenotype-Driven Differential-Diagnosis System

① ヘルプ ② 利用規約 API お問い合わせ

遺伝性疾患 (OMIM) 7,021 件 希少疾患 (Orphanet) 4,057 件

合計: 4,057 件 1 2 3 ... 406 > 10 (表示件数)

順位 (類似度) 疾患名

1 (86.6%) Hereditary spherocytosis 溶血性貧血 | 球状赤血球症 | 脾腫 | 葉酸  
---  
遺伝性球状赤血球症 ANK1 | EPB42 | SLC4A1 | APTA1 | S...  
Hereditary spherocytosis is a congenital symptom-free carriers to severe hemolytic and cholelithiasis. >> 翻訳 (Google)  
Orphanet:822 画像検索 (Google) 症状をクリック

PubCaseFinder  
Phenotype-Driven Differential-Diagnosis System

① ヘルプ ② 利用規約 API お問い合わせ

27108201 MIXED\_SAMPLE Adult

Disease-modifying influences of coexistent G6PD-deficiency, Gilbert syndrome and deletional alpha thalassemia in hereditary spherocytosis: A report of three cases.  
Jamwal M, Aggarwal A, Kumar V, Sharma P, Sachdeva MU, Bansal D, Malhotra P, Das R. Clin Chim Acta. 2016;458:51-4.

**Hereditary spherocytosis** (HS) is a common inherited hemolytic anemia characterized by heterogeneous clinical presentations with variable degrees of anemia, jaundice, **splenomegaly** and gallstones.

27566068 MALE Middle Aged  
(5002123) Open-heart surgery using a centrifugal pump: a case of hereditary spherocytosis.  
Matsuzaki Y, Tomioka H, Saso M, Azuma T, Saito S, Aomi S, Yamazaki K. J Cardiothorac Surg. 2016;11(1):138.

**Hereditary spherocytosis** is a genetic, frequently familial hemolytic blood disease characterized by varying degrees of hemolytic anemia, **splenomegaly**, and jaundice.

27906107 FEMALE Adult  
(5134285) Previously undiagnosed hereditary spherocytosis in a patient with jaundice and pyelonephritis: a case report.  
Tateno Y, Suzuki R, Kitamura Y. J Med Case Rep. 2016;10(1):337.

The classical clinical features of **hereditary spherocytosis** are anemia, jaundice, and **splenomegaly**.

27423290 MALE Child  
Hereditary Spherocytosis with Splenomegaly and Cholelithiasis in a Young Male of Western Region of Nepal - A Case Report.  
Ghimire P, Gurung NV, Shrestha S, Poudel SR, Chapagain A. Kathmandu Univ Med J (KUMJ). 2015;13(52):366-8.

## 取得した疾患－症状関連情報を疾患ランキングシステムに活用

- 症例報告から取得した疾患－症状関連情報は、ランキング精度の向上に寄与するか？

【順位】  
【類似度】  
【疾患】

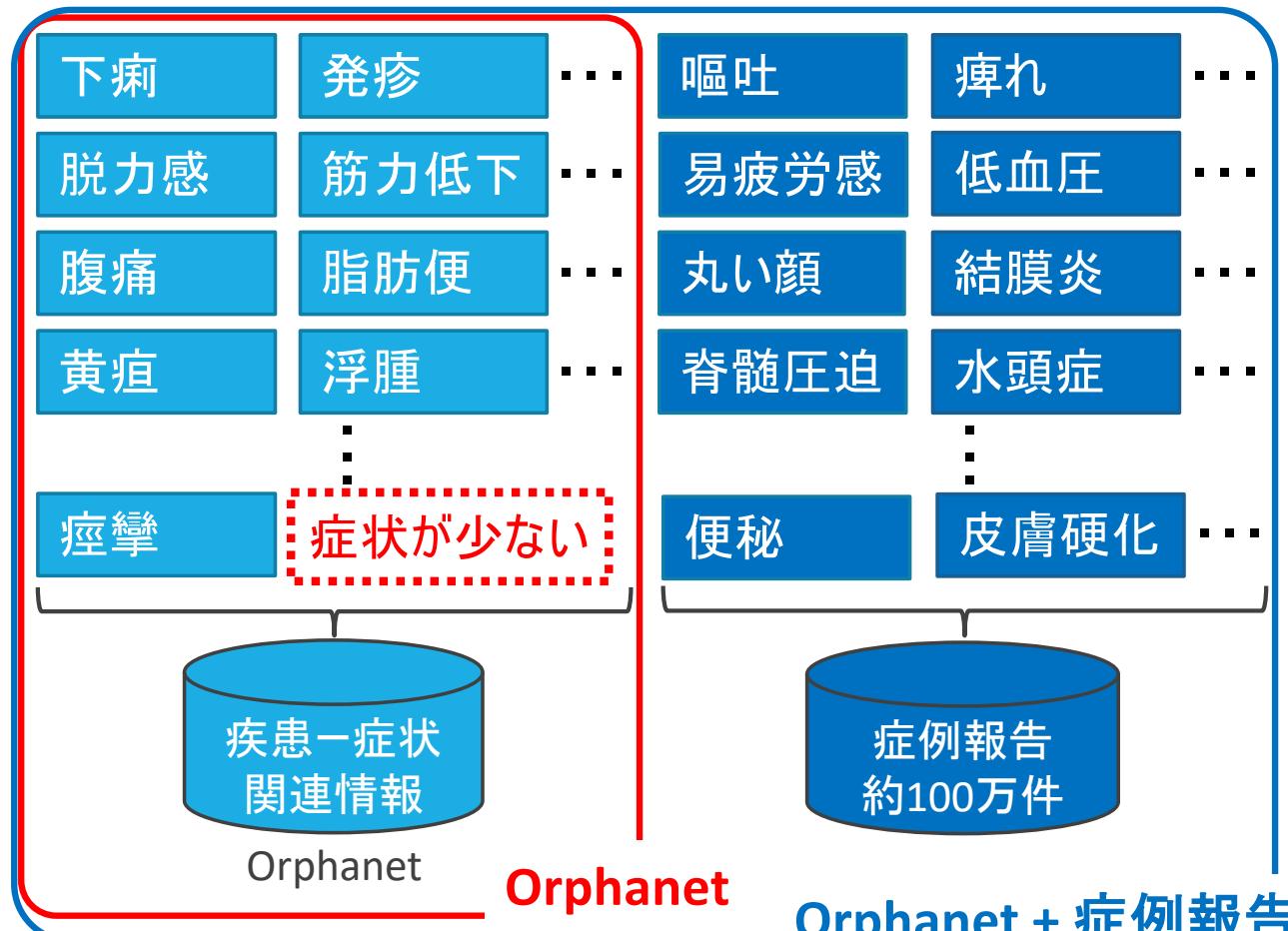
1	0.9	ファブリー病
2	0.8	アジソン病
3	0.6	遺伝性膵炎
4	0.5	ウィルソン病
⋮	⋮	⋮
2478	0.1	カナバン病

GeneYentaアルゴリズム  
(Gottlieb, 2015)

Orphamizer

BOQAアルゴリズム : Orphanet  
(Sebastian, 2012)

【症状セット】



# 疾患ランキング精度の評価方法

- カナダCare4Rareから症状から診断がつかなかった135症例を評価用に頂いた
  - 診断結果(ORDO ID)、症状(HPO IDs)
- Recallで疾患ランキング精度を評価

症例 1		症例 2		症例 3	
順位	疾患名	順位	疾患名	順位	疾患名
1	疾患A	1	疾患A	1	疾患A
2	疾患B	2	疾患B	2	疾患B
3	疾患C	3	疾患C	3	疾患C
4	疾患D	4	疾患D	4	疾患D
5	疾患E	5	疾患E	5	疾患E
6	疾患F	6	疾患F	6	疾患F
⋮	⋮	⋮	⋮	⋮	⋮
2478	疾患Z	2478	疾患Z	2478	疾患Z

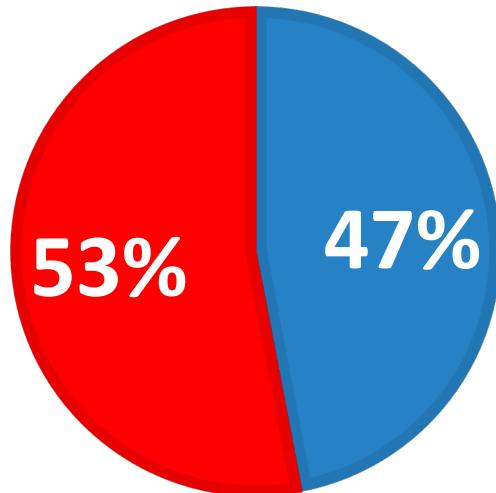
$$RecallX = \frac{\text{Top}X \text{ にランキングした症例数}}{\text{全症例数}}$$

# 疾患ランキング精度の評価

□ 評価用の135症例を利用して、トップ5のRecallを比較

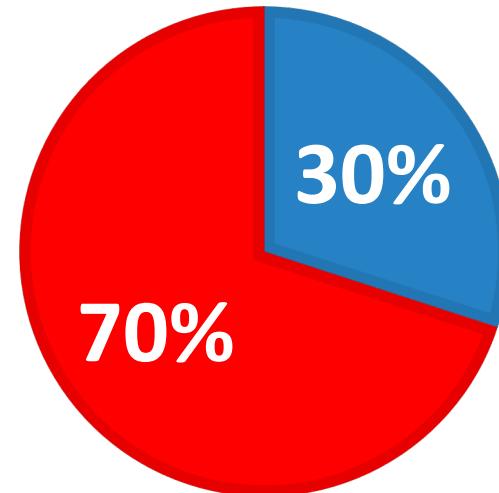
PubCaseFidner  
(Orphanet + 症例報告)

■ 正解症例 ■ 不正解症例



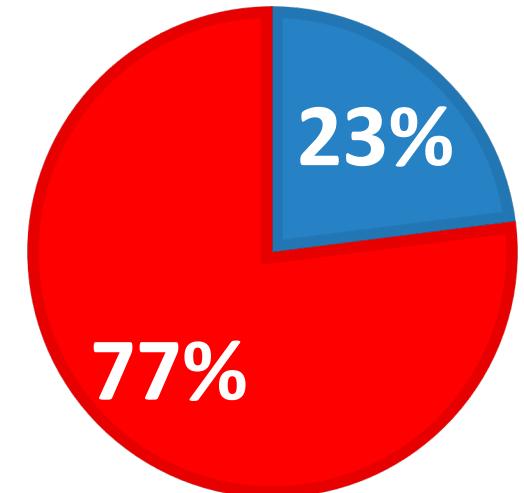
PubCaseFidner  
(Orphanet)

■ 正解症例 ■ 不正解症例



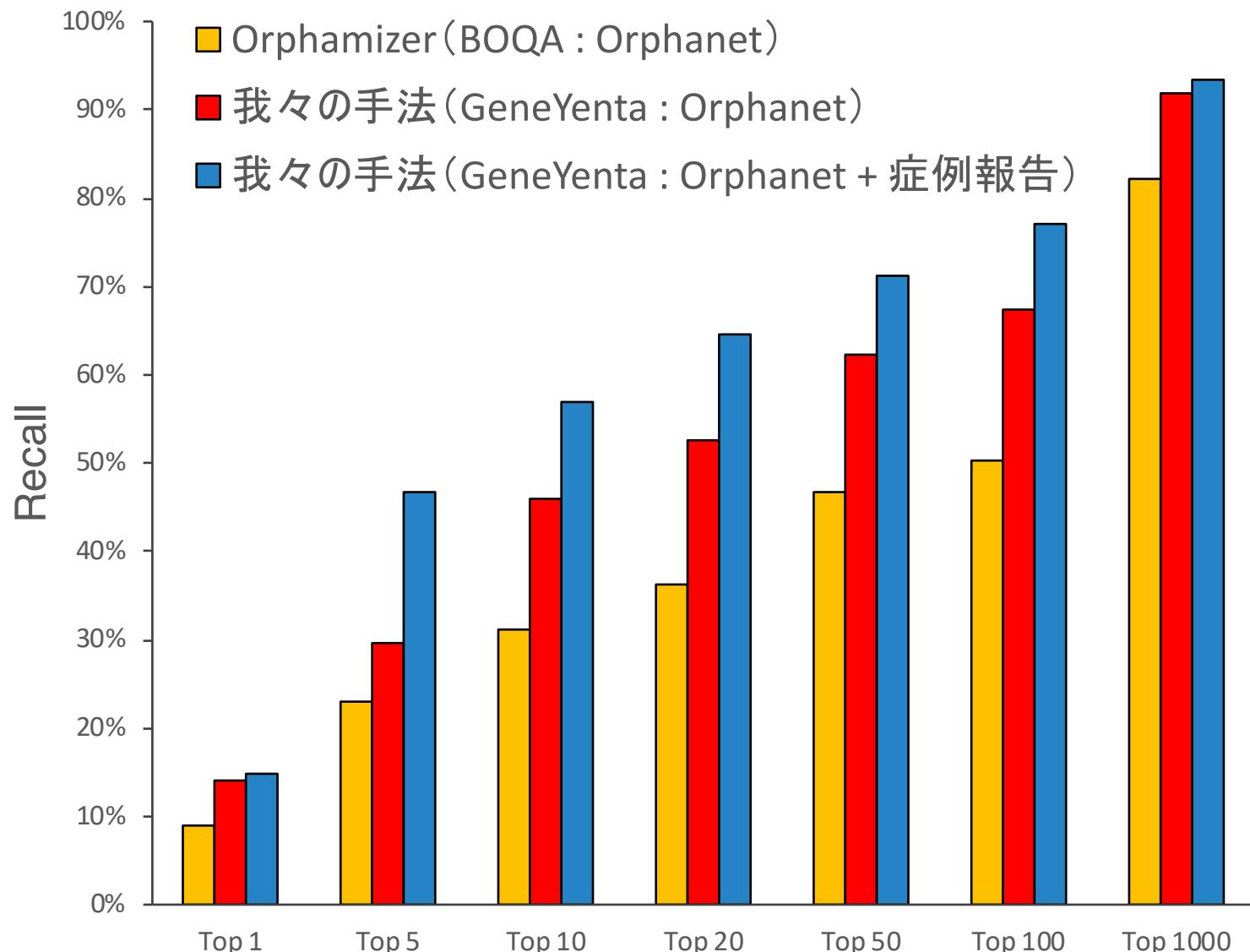
Orphamizer  
(Orphanet)

■ 正解症例 ■ 不正解症例



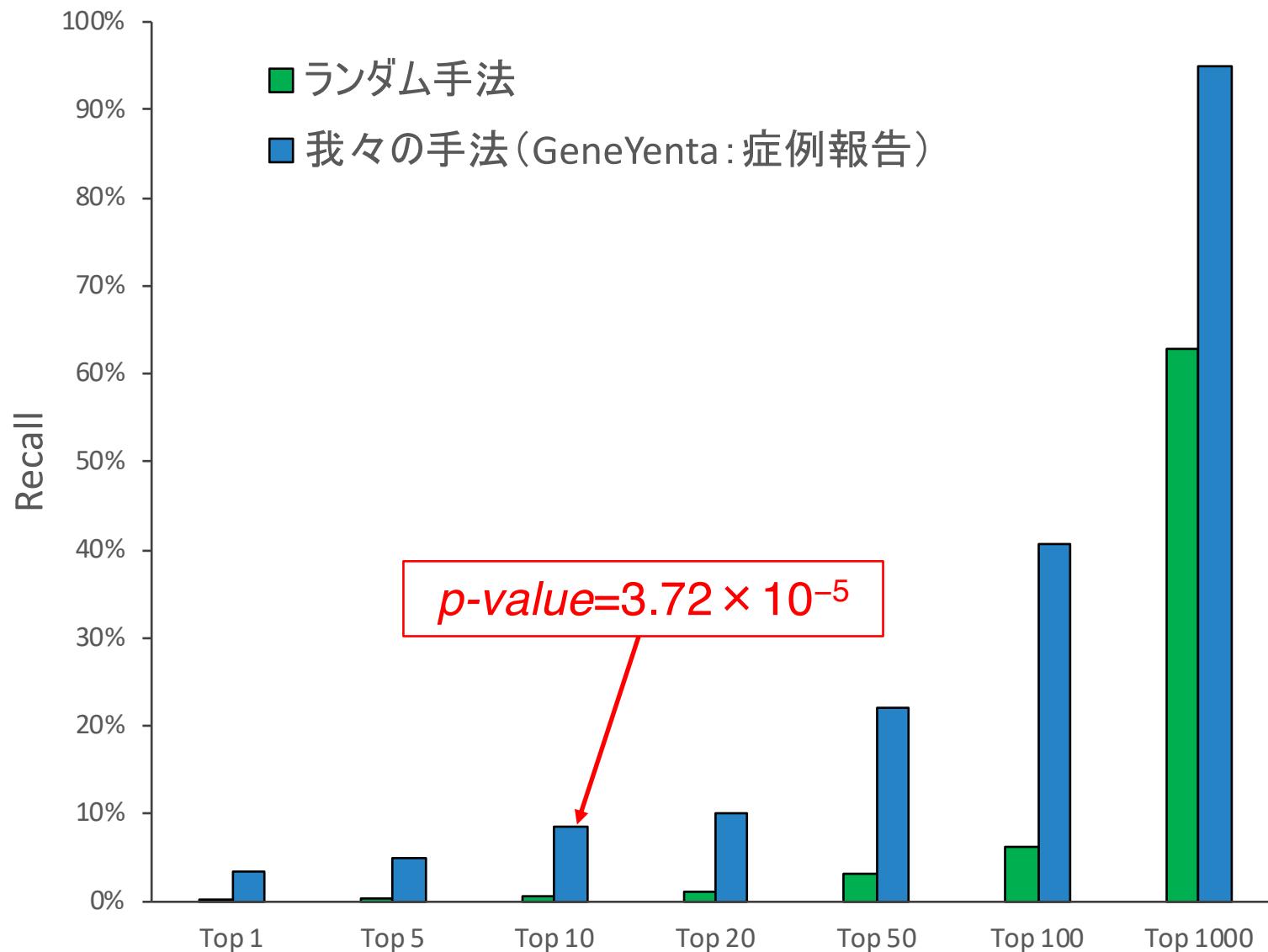
# 疾患ランキング精度の評価

□ 評価用の135症例を利用して、Recall1,5,10,20,50,100,1000を比較

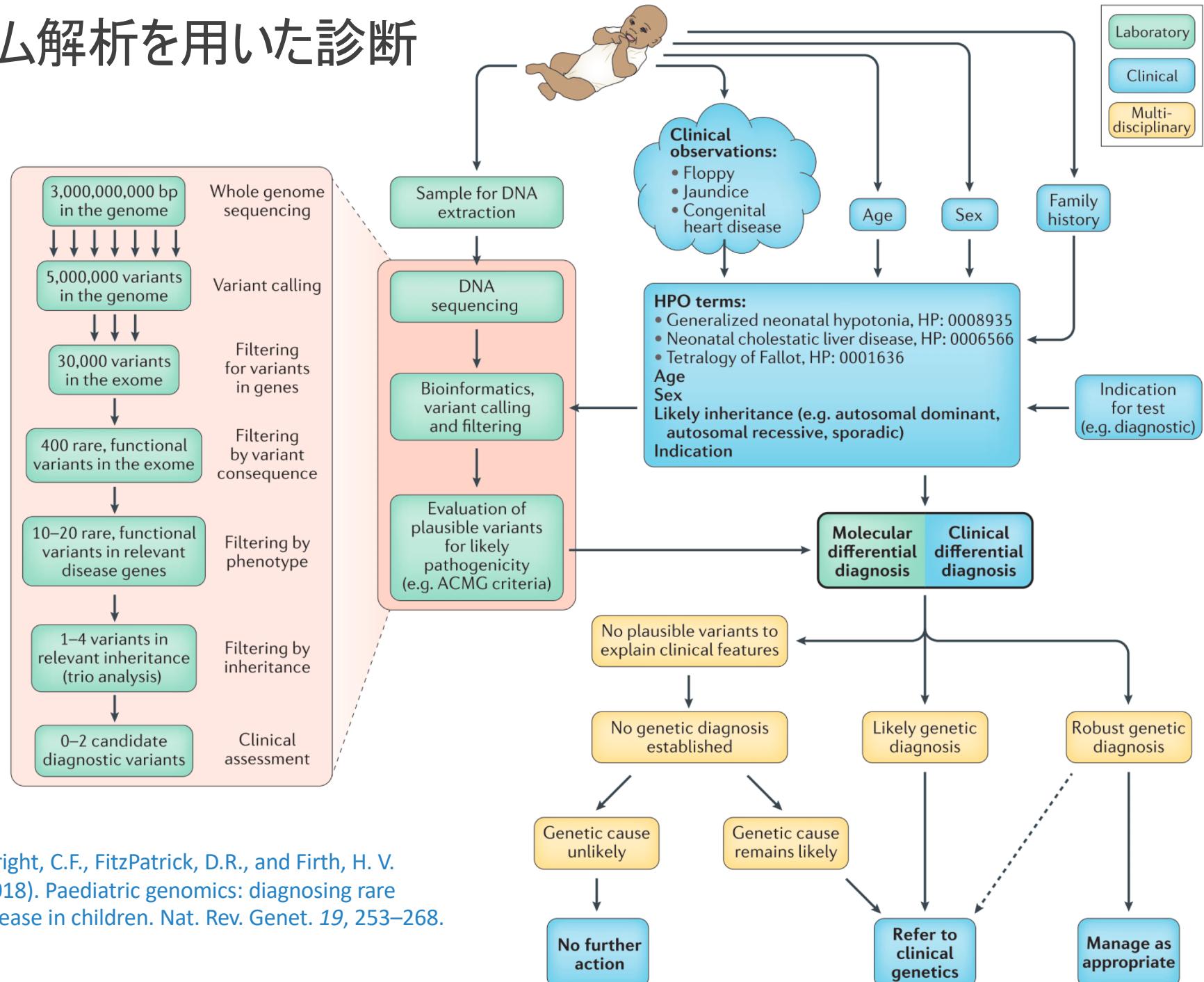


# 疾患ランキング精度の評価

- 評価用の59症例を利用して、Recall1,5,10,20,50,100,1000を比較



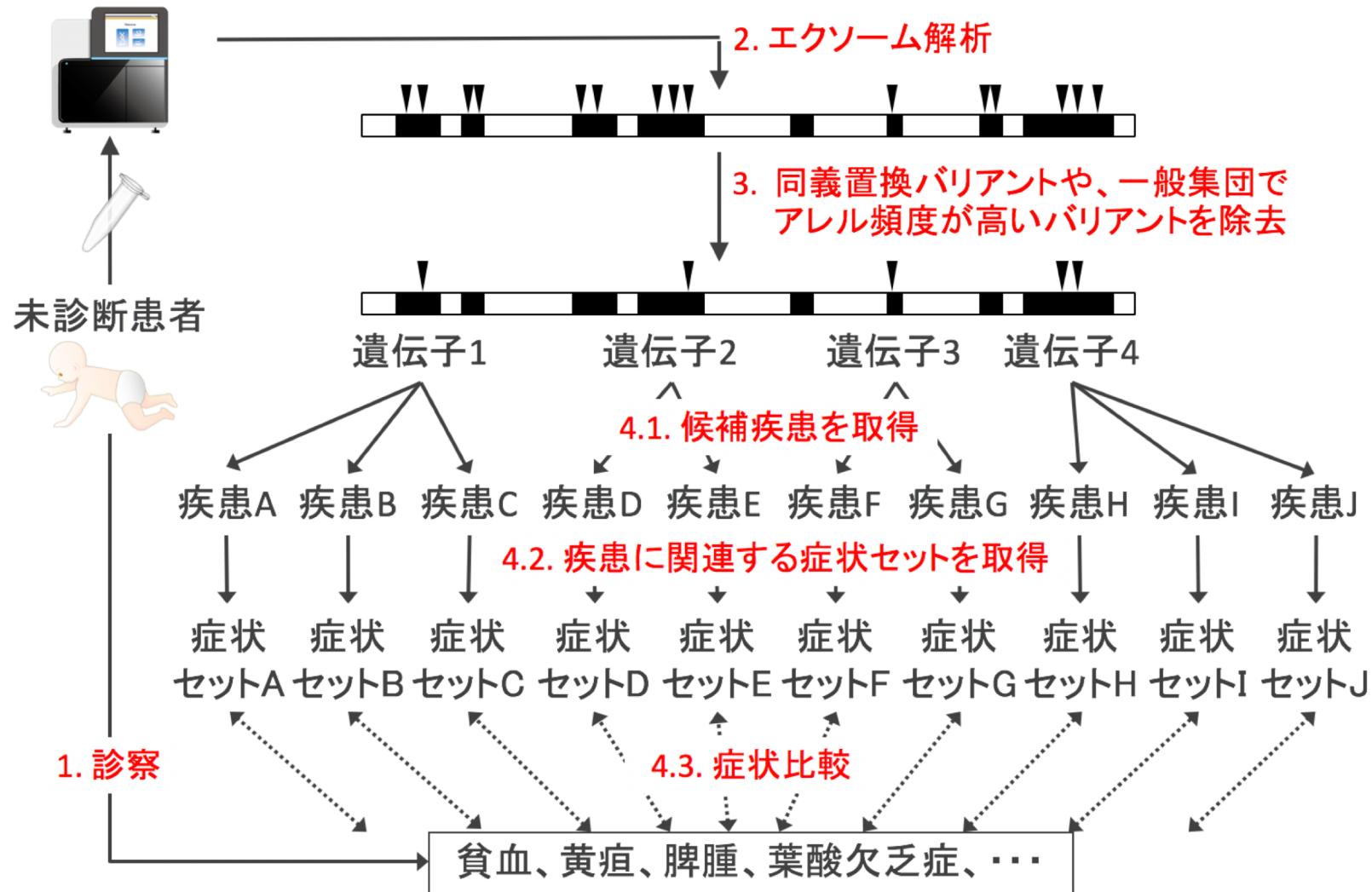
# ゲノム解析を用いた診断



出所: Wright, C.F., FitzPatrick, D.R., and Firth, H. V. (2018). Paediatric genomics: diagnosing rare disease in children. Nat. Rev. Genet. 19, 253–268.

# ゲノム解析を用いた診断にPubCaseFinderを活用

- 患者の症状と候補バリアントを入力する



# ゲノム解析を用いた診断にPubCaseFinderを活用

患者の 徴候・症状 を入力 + Upload File (HPO ID):

HP:0001878 溶血性貧血 ✕ HP:0000952 Jaundice ✕ HP:0001744 脾腫 ✕ HP:0004444 球状赤血球症 ✕ HP:0001081 胆石症 ✕

疾患を絞り込む + Upload File (Entrez Gene ID):

ENT:286 ANK1 (SPH1) ✕ ENT:2038 EPB42 (MGC116735 | MGC116737 | PA) ✕  
ENT:6521 SLC4A1 (CD233 | FR | RTA1A | SW | WR) ✕ ENT:6708 SPTA1 (EL2) ✕ ENT:6710 SPTB ✕ ENT:59 ACTA2 (ACTSA) ✕  
ENT:57674 RNF213 (KIAA1554 | NET57) ✕ ENT:7403 KDM6A ✕ ENT:8085 KMT2D (ALR | CAGL114 | MLL4) ✕  
ENT:5906 RAP1A (KREV-1 | SMGP21) ✕ ENT:5908 RAP1B (K-REV | RAL1B) ✕

[結果の要約をダウンロード](#) [疾患を検索](#) [クリア](#)

希少疾患 (Orphanet) 9 件 遺伝性疾患 (OMIM) 16 件

合計: 9 件 1 10 (表示件数) [結果をダウンロード](#)

順位 (類似度)	疾患名 (疾患ID)	対応する徴候・症状	疾患原因遺伝子
1 (100.0%)	Hereditary spherocytosis (ORDO:822)	溶血性貧血 球状赤血球症 胆石症 脾腫 黄疸	ANK1 EPB42 SLC4A1 SPTA1 SPTB
2 (81.3%)	8p11.2 deletion syndrome (ORDO:251066)	仙骨部陥凹 溶血性貧血 球状赤血球症 脾腫	ANK1
3 (80.1%)	Hereditary elliptocytosis (ORDO:288)	橢円赤血球症 溶血性貧血 黄疸	

## □ 遺伝子一疾患関連情報

- OMIM:6298ペア
  - MedGenから取得
- Orphanet:7502ペア
  - Orphadataから取得

# ゲノム解析を用いた診断にPubCaseFinderを活用

- 東京医科歯科大学の宮冬樹先生のところで、疾患遺伝子変異解析の専門家と臨床医が候補遺伝子を絞り込むことでpathogenicなバリエントを同定した17検体(論文で報告済み)を用いて、PubCaseFinderとPhenIXの精度を比較した

患者		NGS解析			
臨床所見	臨床所見(HPO)	解析方法	解析パイプライ後の候補バリエント数	論文で報告した疾患原因遺伝子	報告論文
小脳低形成	HP:0001321, 小脳低形成	エクソーム解析 (Trio)	34	<i>HNRNPH2</i>	Bain JM. et al. Am. J. Hum. Genet. 99, 3, 728-734 (2016).
てんかん 視神經萎縮	HP:0001250, 発作 HP:0000648, 視神經萎縮	エクソーム解析 (Trio)	26	<i>RTN4IP1</i>	Okamoto et al. J. Hum. Genet. 62, 927-929 (2017).
皮膚弛緩症	HP:0000973, 弛緩性皮膚	エクソーム解析 (Trio)	27	<i>ALDH18A1</i>	Nozaki et al. Brain Dev. 38, 678-684 (2016).
白質異常 皮質盲	HP:0002500, 大脳白質の異常 HP:0100704, Cortical visual impairment	エクソーム解析 (Trio)	36	<i>KIF1A</i>	Okamoto N. et al. J. Hum. Genet. 59, 639-641 (2014).
低身長 精神運動発達障害 骨異常	HP:0004322, 低身長 HP:0002361, 精神運動発達悪化 HP:0000924, 骨格の異常	エクソーム解析 (Trio)	16	<i>FAM20C</i>	Tamai et al. Am. J. Med. Genet. A, 176, 682-686 (2018).
macrocephaly cortical dysplasia	HP:0000256, Macrocephaly HP:0002539, Cortical dysplasia	エクソーム解析 (Trio)	36	<i>AKT3</i>	Negishi Y. et al. BMC Med. Genet. 18, 4 (2017).
水無脳症 小脳低形成 脳幹低形成	HP:0002324, 水無脳症 HP:0001321, 小脳低形成 HP:0002365, 脳幹低形成	エクソーム解析 (Trio)	18	<i>TUBA1A</i>	Yokoi S. et al. Sci. Rep. 5, 15165 (2015).
小頭症 脳室周囲異所性灰白質 小眼球症	HP:0000252, 小頭 HP:0007165, 脳室周囲異所性灰白質 HP:0000568, 小眼球	エクソーム解析 (Trio)	21	<i>PLK4</i>	Tsutsumi M. et al. Eur. J. Hum. Genet. 24, 1702-1706 (2016).
半球間裂囊胞 脳梁低形成	HP:0002079, 脳梁低形成	エクソーム解析 (Trio)	34	<i>NFIA</i>	Negishi Y. et al. Hum. Genome Var. 2, 15007 (2015).
			■		
			■		
			■		

# PubCaseFinderの解析例

## □ 症状を入力

- 発作(HP:0001250)
- 視神経萎縮(HP:0000648)

## □ 候補遺伝子を入力

- 候補バリエント: 26
- 候補遺伝子: 15

```
OFB-34.txt
ACADVL
AMER1
AMMECR1
APC2
CEP170B
FAM200B
LAMA5
NKX2-5
PKD1L3
RTN4IP1
TFF1
THOC2
TTN
ZNF501
ZNF502|
```

患者の 徴候・症状 を入力 + Upload File (HPO ID):  
HP:0001250 発作 × HP:0000648 視神経萎縮 ×

疾患を絞り込む + Upload File (Gene Symbol or Entrez Gene ID or Ensembl Gene ID):  
ENT:37 ACADVL (ACAD6 | LCACD | VLCAD) × ENT:139285 AMER1 (FLJ39827 | WTX) × ENT:9949 AMMECR1 ×  
ENT:10297 APC2 (APCL) × ENT:1482 NKX2-5 (CSX1 | NKX2.5 | NKX4-1) × ENT:84816 RTN4IP1 (NIMP) ×  
ENT:57187 THOC2 (THO2 | dJ506G2.1) × ENT:7273 TTN (CMH9 | CMPD4 | FLJ32040 | LGMD2J | MYLK5 | TMD) ×

共有・ダウンロード 症状入力支援 クリア 疾患を検索

遺伝性疾患 (OMIM) 18 件 希少疾患 (Orphanet) 14 件

合計: 18 件 1 2 » 10 (表示件数)

順位 (類似度)	疾患名	対応する徴候・症状	疾患原因遺伝子	遺伝形式
1 (77.9%)	optic atrophy 10 with or without ataxia, mental retardation, and seizures --- 視神経萎縮 1 +/- 精神遅滞およびけいれん	羞明 視神經杯蒼白 RTN4IP1 常染色体劣性遺伝	OMIM:616732 画像検索 (Google)	
2 (68.5%)	osteopathia striata with cranial sclerosis --- 線状骨症-頭蓋骨硬化症	両眼隔離 発作 AMER1 X連鎖優性遺伝	Osteopathia striata with cranial sclerosis (OS-CS) is a bone dysplasia characterized by longitudinal striations of the metaphyses of the long bones, sclerosis of the craniomaxillary bones, macrocephaly, cleft palate and hearing loss. >> 翻訳 (Google) OMIM:300373 画像検索 (Google) KEGG:H00444	
3 (48.8%)	early-onset myopathy with fatal cardiomyopathy --- Salih ミオパチー	眼瞼下垂 運動発達遅滞 TTN 常染色体劣性遺伝	OMIM:611705 画像検索 (Google) Gene Reviews	

# PhenIXの解析例

## □ 症状を入力

- 発作(HP:0001250)
- 視神経萎縮(HP:0000648)

## □ 候補遺伝子を入力

- 候補バリエント: 26
  - vcfファイル



### Top 11 ranked candidate genes

Variant	Variant analysis	Phenotypic analysis
<b>1) AMER1</b> Gene relevance score: 1.000 variant score 1.000 total score: 1.000	<i>Pathogenicity:</i> <b>MISSENSE</b> Mutation Taster: 1.0 (P) Polyphen2: 0.0 (B) SIFT: 0.1 (T) <i>Frequency</i> No frequency data found Variant read depth: 1	<ul style="list-style-type: none"><li>• Phenomizer: Semantic similarity score: 1.16</li><li>• <a href="#">Osteopathia striata with cranial sclerosis [MIM:300373; gene: MIM:300647].X chromosomal</a></li></ul>
<b>AMER1:uc004dvo.3:exon2:c.194G&gt;T:p.G65V</b> (chrX:g.63412973C>A)	<b>MISSENSE</b> Genotype: [-] <a href="#">View in UCSC Browser</a> Phred variant quality: 80	<b>Phenotypic analysis</b>
	<b>Affected transcripts</b>	Analyse variant with MutationTaster2
<b>2) TTN</b> Gene relevance score: 0.260 variant score 1.000 total score: 0.630	<i>Pathogenicity:</i> <b>MISSENSE</b> Polyphen2: 0.0 (B) SIFT: 0.0 (D) <i>Frequency</i> No frequency data found Variant read depth: 1	<ul style="list-style-type: none"><li>• Phenomizer: Semantic similarity score: 0.60</li><li>• <a href="#">Cardiomyopathy, dilated, 1G [MIM:604145; gene: MIM:188840]. autosomal dominant</a></li><li>• <a href="#">Cardiomyopathy, familial hypertrophic, 9 [MIM:613765; gene: MIM:188840]. autosomal dominant</a></li></ul>
<b>TTN:uc002umx.1:exon13:c.659C&gt;T:p.T220I</b> (chr2:g.179505273G>A)	<b>MISSENSE</b> Genotype: [-] <a href="#">View in UCSC Browser</a> Phred variant quality: 80	Observed variants not compatible with mode of inheritance:
	<b>Affected transcripts</b>	

# 精度比較

## □ 結果

トップ1の正解率

PubCaseFinder: 94% PhenIX: 35%

性別	年齢	患者		解析方法	NGS解析			PubCaseFinder解析結果	PhenIX解析結果	
		臨床所見	臨床所見(HPO)		解析パイプライ後の候補バリエント数	論文で報告した疾患原因遺伝子	報告論文		ランキング疾患数	論文報告遺伝子の順位
男	3歳	小脳低形成	HP:0001321,小脳低形成	エクソーム解析(Trio)	34	<i>HNRNPH2</i>	Bain JM. et al. Am. J. Hum. Genet. 99.3, 728-734 (2016).	24	1	17 10
男	13歳	てんかん 視神経萎縮	HP:0001250,発作 HP:0000648,視神経萎縮	エクソーム解析(Trio)	26	<i>RTN4IP1</i>	Okamoto et al. J. Hum. Genet. 62, 927-929 (2017).	18	1	11 10
男	10歳	皮膚弛緩症	HP:0000973,弛緩性皮膚	エクソーム解析(Trio)	27	<i>ALDH18A1</i>	Nozaki et al. Brain Dev. 38, 678-684 (2016).	23	1	8 1
男	5歳	白質異常 皮質盲	HP:0002500,大脳白質の異常 HP:0100704,Cortical visual impairment	エクソーム解析(Trio)	36	<i>KIF1A</i>	Okamoto N. et al. J. Hum. Genet. 59, 639-641 (2014).	25	1	20 4
男	1歳	低身長 精神運動発達障害 骨異常	HP:0004322,低身長 HP:0002361,精神運動発達悪化 HP:0000924,骨格の異常	エクソーム解析(Trio)	16	<i>FAM20C</i>	Tamai et al. Am. J. Med. Genet. A, 176, 682-686 (2018).	7	1	7 2
女	1歳11か月	macrocephaly cortical dysplasia	HP:0000256,Macrocephaly HP:0002539,Cortical dysplasia	エクソーム解析(Trio)	36	<i>AKT3</i>	Negishi Y. et al. BMC Med. Genet. 18, 4 (2017).	33	1	20 2
女	2歳	水無脳症 小脳低形成 脳幹低形成	HP:0002324,水無脳症 HP:0001321,小脳低形成 HP:0002365,脳幹低形成	エクソーム解析(Trio)	18	<i>TUBA1A</i>	Yokoi S. et al. Sci. Rep. 5, 15165 (2015).	15	1	8 1
女	2歳	小頭症 脳室周囲異所性灰白質 小眼球症	HP:0000252,小頭 HP:0007165,脳室周囲異所性灰白質 HP:0000568,小眼球	エクソーム解析(Trio)	21	<i>PLK4</i>	Tsutsumi M. et al. Eur. J. Hum. Genet. 24, 1702-1706 (2016).	7	1	9 3
男	4歳	半球間裂囊胞 脳梁低形成	HP:0002079,脳梁低形成	エクソーム解析(Trio)	34	<i>NFIA</i>	Negishi Y. et al. Hum. Genome Var. 2, 15007 (2015).	13	1	20 18
女	NA	脳梁欠損 てんかん 知的障害	HP:0001274,脳梁無発生 HP:0001250,発作 HP:0001249,知的障害	エクソーム解析(Trio)	3	<i>EPG5</i>	Hori et al. Sci. Rep. 14, 3552 (2017).	1	1	1 1
女	NA	多小脳回 異所性灰白質	HP:0002126,多小脳回 HP:0002281,異所性灰白質	エクソーム解析(Trio)	23	<i>NEDD4L</i>	Kato et al. J. Hum. Genet. 62, 861-863 (2017).	12	1	13 8
女	NA	小頭症 低身長 自閉症	HP:0000252,小頭 HP:0004322,低身長 HP:0000717,自閉症	エクソーム解析(Trio)	16	<i>ASXL3</i>	Hori I. et al. Am. J. Med. Genet. A. 170, 1863-1867 (2016).	6	2	10 8
女	NA	小頭症 てんかん性脳症	HP:0000252,小頭 HP:0200134,てんかん性脳症	エクソーム解析(Trio)	46	<i>STAMBP</i>	Hori et al. J. Hum. Genet. 63, 957-963 (2018).	15	1	20 2
男	NA	巨脳症	HP:0001355,巨大脳症	エクソーム解析(Trio)	34	<i>MYCN</i>	Kato et al. J. Med. Genet. 56, 388-395 (2019).	40	1	15 3
女	NA	小頭症	HP:0000252,小頭	エクソーム解析(Trio)	5	<i>ASPM</i>	F. Miya et al. Sci. Rep. 5, 9331 (2015).	3	1	2 1
女	NA	脳梁欠損	HP:0001274,脳梁無発生	エクソーム解析(Trio)	38	<i>EPG5</i>	Hori et al. Sci. Rep. 14, 3552 (2017).	15	1	15 1
男	NA	水頭症	HP:0000238,水頭症	エクソーム解析(Trio)	25	<i>TUBA1A</i>	Yokoi S. et al. Sci. Rep. 5, 15165 (2015).	8	1	12 1

# 未知の疾患バリエントを探索

- インターネット上で公開されている未診断症例約25,000件を収集
- PubCaseFinderからこれら症例を検索可能(coming soon)

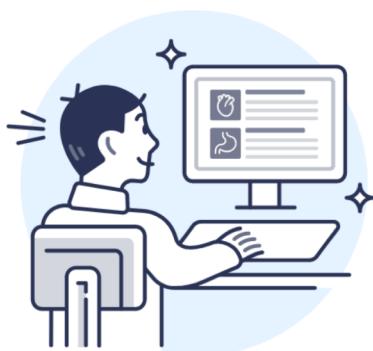
※ 2019/3/22時点

データベース名	症例数
DECIPHER	22,912
MyGene2	2,081
UDN	114

## サンプル（UDN）

The screenshot shows the UDN website interface. At the top, there's a navigation bar with links like 'About Us', 'How to Apply', 'Sites', 'Participants', 'Research', 'News', 'Contact Us', 'En Español', and a search bar. Below the navigation, there are two main sections: 'Symptoms / Signs' and 'Genetic Variants of Interest'. The 'Symptoms / Signs' section lists several medical conditions: Cleft lip and palate (unilateral), Heart defect (atrial septal defect), Absent thymus, No functional T-cells, and Short neck (Klippel Feil anomaly). The 'Genetic Variants of Interest' section provides information about a specific genetic change identified in a participant. It includes a table with columns for Gene, Inheritance Pattern, Position, Transcript, DNA Change, and Protein Change. The gene listed is TBX2, with an inheritance pattern of autosomal dominant, position chr17:59477596, transcript NM\_005994.3, DNA change c.59G>A, and protein change p.R20Q.

# まとめ



鑑別診断に活用



N of 1 Problem  
coming soon



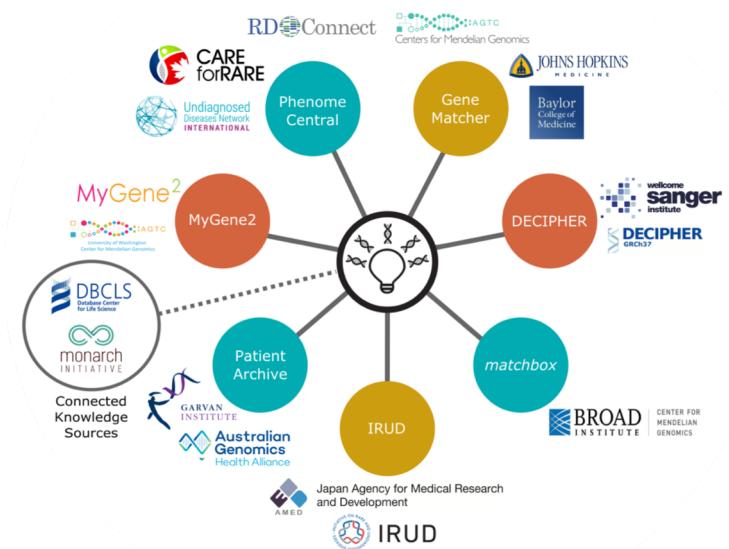
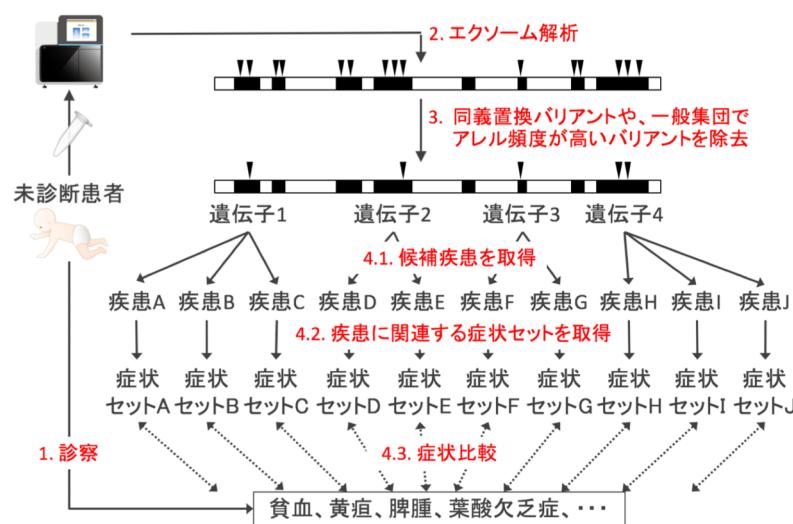
症例報告を探す



簡単な症状入力

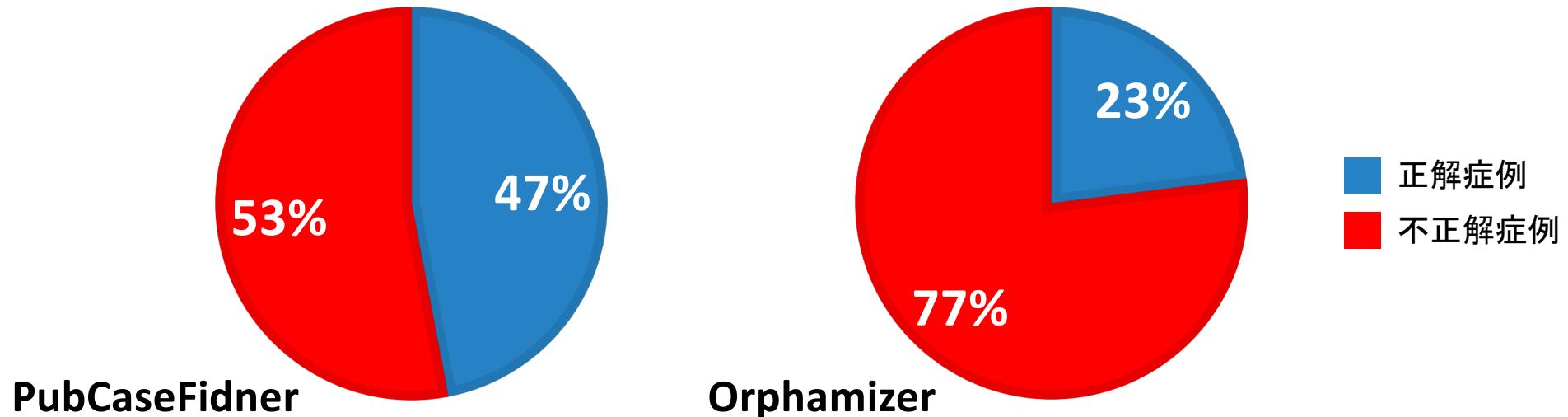


多言語対応

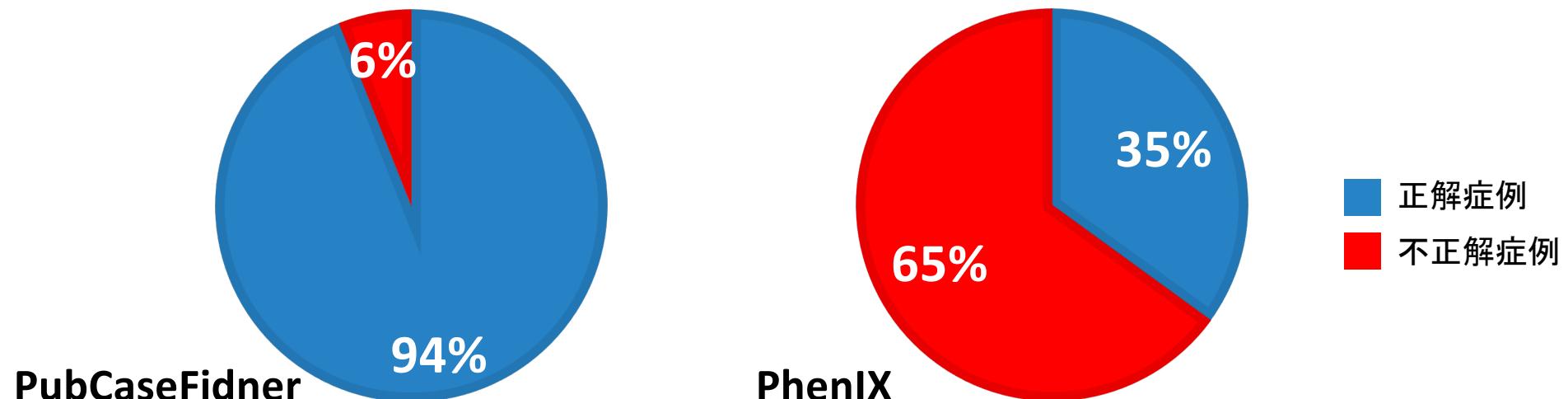


# まとめ

## □ 症状のみを用いたTop5の正解率比較



## □ 症状と遺伝情報を用いたTop1の正解率比較



# 今後

---

- 約25,000件の未診断症例を検索対象に追加(9月末リリース予定)
- 日本語症例報告の追加(本年度リリース予定)
  - J-Stageに収納されている約15万件の症例報告
- 疾患ではなく疾患原因遺伝子をランキング表示する機能を追加(来年度リリース予定)
- 希少疾患インフォマティクスハッカソン(2020年2月開催予定)
- 国際版希少疾患インフォマティクスハッカソン(2020年3月開催予定)
  - 予算を確保できれば